

(19) 世界知的所有権機関
国際事務局



(43) 国際公開日
2004 年 11 月 11 日 (11.11.2004)

PCT

(10) 国際公開番号
WO 2004/097414 A1

(51) 国際特許分類⁷: G01N 33/53

大字手良沢岡字大原 1063-103 株式会社医学生物学
研究所内 Nagano (JP).

(21) 国際出願番号: PCT/JP2004/005412

(22) 国際出願日: 2004 年 4 月 15 日 (15.04.2004)

(74) 代理人: 清水 初志, 外(SHIMIZU, Hatsushi et al.); 〒
3000847 茨城県土浦市御町 1-1-1 関鉄つくばビ
ル 6 階 Ibaraki (JP).

(25) 国際出願の言語: 日本語

(26) 国際公開の言語: 日本語

(30) 優先権データ:
特願 2003-121955 2003 年 4 月 25 日 (25.04.2003) JP
特願 2003-433303
2003 年 12 月 26 日 (26.12.2003) JP

(81) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の国内保護が
可能): AE, AG, AL, AM, AT, AU, AZ, BA, BB, BG, BR,
BW, BY, BZ, CA, CH, CN, CO, CR, CU, CZ, DE, DK, DM,
DZ, EC, EE, EG, ES, FI, GB, GD, GE, GH, GM, HR, HU,
ID, IL, IN, IS, JP, KE, KG, KP, KR, KZ, LC, LK, LR, LS,
LT, LU, LV, MA, MD, MG, MK, MN, MW, MX, MZ, NA,
NI, NO, NZ, OM, PG, PH, PL, PT, RO, RU, SC, SD, SE,
SG, SK, SL, SY, TJ, TM, TN, TR, TT, TZ, UA, UG, US,
UZ, VC, VN, YU, ZA, ZM, ZW.

(71) 出願人 (米国を除く全ての指定国について): 株式会
社医学生物学研究所 (MEDICAL AND BIOLOGICAL
LABORATORIES CO., LTD.) [JP/JP]; 〒4600002 愛知
県名古屋市中区丸の内 3 丁目 5 番 10 号 住友商事
丸の内ビル 5 F Aichi (JP).

(84) 指定国 (表示のない限り、全ての種類の広域保護が
可能): ARIPO (BW, GH, GM, KE, LS, MW, MZ, SD, SI,
SZ, TZ, UG, ZM, ZW), ユーラシア (AM, AZ, BY, KG,
KZ, MD, RU, TJ, TM), ヨーロッパ (AT, BE, BG, CH, CY,
CZ, DE, DK, EE, ES, FI, FR, GB, GR, HU, IE, IT, LU, MC,
NL, PL, PT, RO, SE, SI, SK, TR), OAPI (BF, BJ, CF, CG,
CI, CM, GA, GN, GQ, GW, ML, MR, NE, SN, TD, TG).

(71) 出願人 および

(72) 発明者: 姥名 洋介 (EBINA, Yousuke) [JP/JP]; 〒
7708073 徳島県徳島市八万町上福万 3-48
Tokushima (JP). 小畑 利之 (OBATA, Toshiyuki) [JP/JP];
〒7708006 徳島県徳島市新浜町 2 丁目 3-75-
101 Tokushima (JP).

添付公開書類:
— 国際調査報告書

(72) 発明者; および

(75) 発明者/出願人 (米国についてのみ): 岡本 英治
(OKAMOTO, Eiji) [JP/JP]; 〒3960002 長野県伊那市

2 文字コード及び他の略語については、定期発行される
各 PCT ガゼットの巻頭に掲載されている「コードと略語
のガイダンスノート」を参照。

(54) Title: METHOD OF MEASURING INSULIN RECEPTOR α SUBUNIT

(54) 発明の名称: インスリンレセプター α サブユニットの測定方法

(57) Abstract: It has been found that free insulin receptor α subunits are present in the blood. There is provided a method of measuring insulin receptor α subunits, comprising the step of bringing insulin receptor α subunits of a blood sample into contact with an antibody capable of recognizing insulin receptor α subunits and detecting bonding therebetween. The measuring of free insulin receptor α subunits in the blood is useful for estimation of a risk factor of diabetes. Further, it has been clarified by the measuring method that the concentration of free insulin receptor α subunits in the blood of patients with diabetes or cancer is significantly high. The free insulin receptor α subunits in the blood are useful as a marker for diabetes or cancer.

(57) 要約: 血中に遊離のインスリンレセプター α サブユニットが存在することが見出された。そして、血液試料中のインスリンレセプター α サブユニットとインスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体を接触させ、両者の結合を検出する工程を含む、インスリンレセプター α サブユニットの測定方法が提供された。血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットの測定は、糖尿病のリスクファクターの評価に有用である。更に本発明の測定方法により、糖尿病あるいはがん患者における血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニット濃度が有意に高いことが明らかにされた。血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットは、糖尿病あるいはがんのマーカーとして有用である。

WO 2004/097414 A1

- 1 -

明細書

インスリンレセプター α サブユニットの測定方法5 技術分野

本発明は、血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの測定方法に関する。また本発明は、糖尿病並びにがんの診断方法に関する。

背景技術

- 10 インスリンは、生体のエネルギー源であるグルコースの代謝調節において重要な役割を果たしているホルモンである。膵ランゲルハンス島 β 細胞で産生されたインスリンは、インスリンレセプターを有する細胞に作用し、細胞によるグルコースの取り込みを促す。インスリンの作用によって、生体の血糖値は適切な範囲に維持されている。糖尿病は、なんらかの原因によってインスリンの作用が不十分
- 15 分になった結果としてもたらされる病態の1つである。

- インスリンの作用が不十分になる主な原因として、インスリンの分泌機能の異常と、インスリンに対する感受性の低下があげられる。前者は1型糖尿病(Type 1 Diabetes Mellitus)と呼ばれる。1型糖尿病においては、インスリンに対する応答性は維持されているため、インスリンの投与によって血糖値のコントロールが
- 20 可能である。1型糖尿病はインスリン依存性の糖尿病(Insulin Dependent Diabetes Mellitus; IDDM)とも呼ばれ、若年性の糖尿病の主な原因となっている。

- 一方、後者は、2型糖尿病(Type 2 Diabetes Mellitus)と呼ばれている。2型糖尿病は、インスリン非依存性糖尿病(Non-Insulin Dependent Diabetes Mellitus; NIDDM)とも呼ばれ、成人に多いタイプの糖尿病である。日本では糖尿病患者の
- 25 95%が2型糖尿病であると言われている。2型糖尿病患者は、生体のインスリンに対する応答性が低下しているため、インスリンを投与しても血糖値をコントロ

- 2 -

ールすることができない。2型糖尿病は幾つかの遺伝子異常と、肥満、ストレス、加齢などの環境因子が加わって発症すると考えられている。現在、日本にも約740万人の2型糖尿病患者がいると言われており、その数は高齢化にともなって増加している。糖尿病予備軍も含めると1620万人もの患者がいるという予測もある。したがって、2型糖尿病の診断や治療は、現代社会の重要な研究課題である。

現在までのところ、2型糖尿病の原因遺伝子は明らかになっていない。インスリン作用機構に関与する因子の遺伝子、またはインスリン分泌に関与する因子の遺伝子が候補遺伝子と予想されている。このうち、インスリン作用に関与する因子としては、次のような因子が考えられている。

インスリンレセプター、

インスリンレセプターサブストレート1 (IRS-1)、

グルコーストランスポータータイプ4など

またインスリン分泌に関与する因子の遺伝子として、次のような因子の関与が予想されている。

グルコーストランスポータータイプ2、

グルコキナーゼ、

ミトコンドリア遺伝子など

さて、インスリンが標的細胞に作用するには、その細胞膜上に存在するインスリンレセプターと結合することが必須である。また2型糖尿病の初期には、インスリン抵抗性が存在するという多くの報告がある(非特許文献1/Taylor, S. I. Diabetes 41:1473-1490, 1992)。これらのことから、インスリンレセプターの異常と糖尿病の関係についても検討されてきた。インスリンレセプターの機能に異常が存在すると、高度のインスリン抵抗性を示し、重篤な糖尿病となるはずである。

一方、最近になって本発明者を含む研究者によって多くのインスリンレセプター異常症が発見され、変異の種類により患者の検査結果と症状が多彩であること

- 3 -

が明らかとなってきた(非特許文献2/M. Taira et al., Science 245:63-66, 1989、非特許文献3/F. Shimada et al., Lancet 335:1179-1181, 1990)。これにより2型糖尿病の発症原因の一部にインスリンレセプター遺伝子異常が存在する可能性が示唆された。実際本発明者らは、2型糖尿病の遺伝子診断を可能とする多型の1
5 つを明らかにし、既に特許出願している(特許文献1/特開平8-103280)。

インスリンレセプターは、 α と β の2つのサブユニットで構成されるヘテロ4量体構造の受容体蛋白質である。 α サブユニットは細胞外にあり、 β サブユニットは細胞膜を貫通している。 α サブユニットはそのC末端側にあるCys残基のSH基を介して、 β サブユニットの細胞外ドメインとSS結合によって結合している。

10 インスリンが α サブユニットと結合すると、 β サブユニットの細胞内ドメインのチロシン残基が自己リン酸化され、インスリンのシグナルが細胞に伝達される。細胞膜にあったインスリンレセプターは、インスリンとの結合の後にエンドサイトーシスにより細胞内に取り込まれる(受容体の半減期は7時間)。インスリンレセプターの数
15 はインスリン濃度の増加に伴って減少する。これを下降調節(down regulation)という。

本発明者らによって見出されたインスリンレセプターの多型は、 β サブユニットの831位のThrがAlaに変異している(IRA831)。このアミノ酸の置換を原因とするインスリンレセプターの機能異常は確認されなかった。しかし、遺伝統計学的にはIRA831と2型糖尿病との強い関連性が示された。

20 一方、最近、いくつかの疾患においてレセプターの異常に基づく疾患、血中にフリーのレセプターが存在することによる疾患が報告されている(非特許文献4/Frode TS, Tenconi P, Debiasi MR, Medeiros YS "Tumour necrosis factor- α , interleukin-2 soluble receptor and different inflammatory parameters in patients with rheumatoid arthritis." Mediators Inflamm. 2002 Dec; 11
25 (6): 345-9、非特許文献5/Baron AT, Cora EM, Lafky JM, Boardman CH, Buenafe MC, Rademaker A, Liu D, Fishman DA, Podratz KC, Maihle NJ "Soluble Ep

- 4 -

idermal Growth Factor Receptor (sEGFR/sErbB1) as a potential Risk, Screening, and Diagnostic Serum Biomarker of Epithelial Ovarian Cancer." Cancer Epidemiol Biomarkers Prev, 2003 Feb ; 12(2) : 103-113、非特許文献6/Begu in Y. "Soluble transferrin receptor for the evaluation of erythropoiesis and iron status." Clin Chem Acta, 2003 Mar ; 329(1-2) : 9-22)。また、インスリンレセプター α サブユニットを血中に放出するトランスジェニックマウスにおいて、高血糖、高インスリン血症が観察されている（非特許文献7/ERIK M. SCHAEFER et al. DIABETES vol. 43, 143-153 ; 1994）。しかし、ヒトにおいて血中に遊離のインスリン受容体が存在することは報告されていない。

- 10 さて、疾患にともなって生体試料におけるレベルが変化する物質は、しばしば疾患の診断マーカーとして有用である。たとえば生体試料に含まれるがんの指標となる物質は、腫瘍マーカー(tumor marker)と呼ばれる。生体試料に含まれる腫瘍マーカーは、がんが存在する場合にその存在レベルが健常者と比較して有意に変化している。したがって、腫瘍マーカーの測定値に基づいて、被検者ががんを
- 15 有している可能性を推定することができる。通常、腫瘍マーカーのみでがんの有無を確定診断することは難しいとされている。しかし、がんに関する、より高度な詳細な検査を必要としている被検者をスクリーニングするには、腫瘍マーカーの測定は有効と考えられている。

また腫瘍マーカーの中には、がんの大きさや進行度に相関して、その測定レベルが変化するものがある。このような腫瘍マーカーは、がんの治療効果の指標として有用である。

これまでに多くの腫瘍マーカーが報告されてきた。一般に、腫瘍マーカーは、もともと正常な組織にも存在している物質であることが多い。また健常者であっても、生理的な条件や、がん以外の疾患によって、腫瘍マーカーの測定レベルが

25 変化する場合もある。そのため、がんを有していない被検者が陽性と判定される可能性がある。がんを有していない被検者が陽性と判定されることを、偽陽性(fa

- 5 -

lse-positive)という。逆に、がんと診断されるべき被検者であっても、腫瘍マーカーが正常範囲にとどまる場合もある。この場合は、陽性であるべき被検者が陰性と判定される。これを偽陰性(false-negative)という。

- 陽性か陰性かの判定は、腫瘍マーカーの測定レベルとカットオフ値との関係によって求められる。つまり、がん患者で有意に測定値が高い腫瘍マーカーであれば、腫瘍マーカーの測定値がある値(カットオフ値)以上の場合に、がんが疑われる。一般に、カットオフ値を高く設定すれば、偽陰性が増加し、偽陽性が減る。逆に、カットオフ値を低くすれば、偽陰性は減るものの、偽陽性が増える。偽陰性の増加は、検査漏れを意味しているので、できるだけ小さいほうが望ましい。
- 10 一方で、偽陽性の増加は、検査の必要の無い被検者に、より高度な検査を施すことになる。つまり、偽陰性あるいは偽陽性のいずれをも、許容できる範囲に留めることができる腫瘍マーカーは、より実用的な腫瘍マーカーであると言えることができる。

- 偽陽性や偽陰性をどの程度許容できるかは、そのがんの診断の難易度、治療方法の有無、あるいはがん患者の数などによっても変化する。また他に比較すべき腫瘍マーカーが知られているかどうか、重要な判断基準である。更に、既にがんを有することが明らかな患者における治療効果の確認、あるいは再発の監視においては、腫瘍マーカーは継続して測定される。このような用途においては、偽陰性あるいは偽陽性の問題よりも、がんに対する応答特性が重要視される。これらの判断基準に基づいて、いくつかの腫瘍マーカーが実用化されている。以下に現在広く利用されている腫瘍マーカーの例を示す。
- 15
- 20

AFP (肝がん、腎がん、消化器系のがん)

CEA (肝がん、腎がん、消化器系のがん)

CA19-9 (すいがん、胆道がん、大腸がん)

- 25 CA125 (卵巣がん)

PSA (前立腺がん)

- 6 -

NSE (肺がん-小細胞がん-)

CYFRA (肺がん-扁平上皮がん-)

これらの腫瘍マーカーは、特定のがん種において、腫瘍マーカーとして実用化されたものと、比較的多様ながん種に対して腫瘍マーカーとして認知されているものがある。たとえば、NSEあるいはCYFRAなどは、特定のがん種に対する腫瘍マーカーである。他方、AFP、あるいはCEAなどは、比較的多様ながん種において、陽性化する腫瘍マーカーであると言える。

がん種に対する特異性が低く、多様ながん種の腫瘍マーカーとして利用可能な腫瘍マーカーは、特に広域性(broad spectrum)腫瘍マーカーと呼ばれる。広域性腫瘍マーカーは、幅広いがん種の検出や治療効果の判定に利用することができる点で、がん種特異的なマーカーよりも有利である。AFPあるいはCEAなどの公知の広域腫瘍マーカーは、肝臓、消化器、腎などの特定のがん種においては腫瘍マーカーとしての有用性が認められている。しかしその他のがん種においては、必ずしも腫瘍マーカーとしての有用性が認知されていない。したがって、公知の腫瘍マーカーでは診断することが困難ながん種をカバーすることができる腫瘍マーカーが提供されれば有用である。

いくつかの疾患においては、血中にフリーのレセプターが存在することが報告されている(非特許文献4~6)ことは既に述べた。また、インスリンレセプター α サブユニットを血中に放出するトランスジェニックマウスが、高血糖、高インスリン血症を呈することも確認されている(非特許文献7)。しかし、ヒトにおいて血中の遊離のインスリン受容体のがんと関連していることを示唆する報告はない。これまでのインスリンレセプター α サブユニットと癌を結びつける知見といえば、1985年2月、米国Genentech社と米国MemorialSloan Kettering Cancer Centerのグループが、ヒト・インスリン受容体の遺伝子をクローン化、全アミノ酸配列を決定し、アミノ酸配列の解析から、上皮細胞増殖因子(EGF)受容体、およびガン遺伝子src蛋白と相同性があることがわかったことが挙げられる。

発明の開示

本発明は、血中に存在する遊離のインスリンレセプターの α サブユニットの測定方法および糖尿病並びにがんの診断方法の提供を課題とする。

- 5 本発明者らは、インスリンの作用を妨げる原因について研究を続けた。そして、血中に遊離の状態で存在するインスリンレセプターの α サブユニットが、インスリンの作用を妨げ、高血糖をもたらすことを明らかにした。本発明者らは、生体における遊離のインスリンレセプター α サブユニットと糖尿病の関係についての解析を進めるために、その測定系を確立する必要があると考えた。そこで本発明者らは、血中に遊離した α サブユニットの測定方法を確立し本発明を完成した。
- 10 すなわち本発明は、以下のインスリンレセプター α サブユニットの測定方法、測定用試薬、糖尿病の診断方法並びに糖尿病の診断用試薬に関する。

〔1〕 次の工程を含む、血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの測定方法。

- 15 (1) 血液試料をインスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体と接触させる工程、
- (2) 前記抗体と血液中に存在するインスリンレセプター α サブユニットの結合を検出する工程、および
- (3) 両者の結合のレベルに基づいて血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を決定する工程
- 20

- 〔2〕 前記インスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体が固相に結合しているか、または固相に結合可能な標識を有する第1の抗体であり、第1の抗体に結合したインスリンレセプター α サブユニットをインスリンレセプター α サブユニットを認識する第2の抗体の結合によって検出する工程
- 25 を含む、〔1〕に記載の方法。

〔3〕 インスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体を含む、血中の遊離

- 8 -

インスリンレセプター α サブユニットの測定用試薬。

〔４〕次の工程を含む、糖尿病の診断方法。

- a) 被検者の生体試料における、遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を測定する工程
- 5 b) 該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を、対照と比較する工程、および
- c) 該被検者の生体試料における該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量が対照と比較して高い場合に被検者が糖尿病であると判定する工程

10 〔５〕生体試料が血液試料である〔４〕に記載の診断方法。

〔６〕遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を〔１〕に記載の方法により測定する、〔５〕に記載の診断方法

〔７〕インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体からなる糖尿病の診断用試薬。

- 15 あるいは本発明は、インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体の、糖尿病の診断用試薬の製造における使用に関する。
- もしくは本発明は、インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体の、糖尿病の診断における使用に関する。

- また本発明者らは、生体における遊離のインスリンレセプター α サブユニット
- 20 の役割について鋭意研究を続ける過程において、各種がん患者由来の血清中のインスリンレセプター α サブユニットを測定したところ、各種がん患者の測定値と健常者の測定値との間で有意な差が認められることを初めて実証した。すなわち本発明者らは、インスリンレセプター α サブユニットの測定ががん診断に有用であることを見出し、本発明を完成した。したがって本発明は、以下のがんの診断
- 25 方法、並びにがん診断用試薬に関する。

〔８〕次の工程を含む、がんの診断方法。

- 9 -

(a)被検者の生体試料における、遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を測定する工程

(b)該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を、対照と比較する工程、および

5 (c)該被検者の生体試料における該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量が対照と比較して高い場合に被検者ががんであると判定する工程

[9] 生体試料が血液試料である上記[8]に記載の診断方法。

[10] 遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を[1]に記載の方法により測定する、[9]に記載の診断方法

10 [11] インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体を含む、がんの診断用試薬。

あるいは本発明は、インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体の、がんの診断用試薬の製造における使用に関する。

もしくは本発明は、インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含む
15 ペプチドを認識する抗体の、がんの診断における使用に関する。

本発明は、血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットの測定方法を提供した。これまで、血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットの存在は確認されていなかった。またその測定方法も確立されていなかった。本発明者らにより、血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットは、インスリンの作用を妨げることが明らかにされた。したがって、血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットの測定は、糖尿病のリスクを明らかにするために有用である。
20 本発明者らは、実際に糖尿病患者の血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニット濃度が有意に高いことを明らかにした。したがって、本発明は糖尿病の診断方法として有用である。

25 また本発明は、遊離のインスリンレセプター α サブユニットの測定に有用な、遊離型のインスリンレセプター α サブユニットとその製造方法を提供した。本発

- 10 -

明によって得ることができる、遊離型の α サブユニットは、標準試料や免疫原として利用することができる。

また、本発明は、新たな癌の診断方法を提供した。これまで、遊離のインスリンレセプター α サブユニットとの癌と関連が実証された例は報告されていなかった。本発明者らは、各種癌患者の血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニット量が健常者より有意に高くなることを明らかにした。したがって、遊離のインスリンレセプター α サブユニットは、がんマーカーとして利用することができる。

本発明は、次の工程を含む、血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの測定方法を提供する。

- (1) 血液試料をインスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体と接触させる工程、
- (2) 前記抗体と血液中に存在するインスリンレセプター α サブユニットの結合を検出する工程、および
- (3) 両者の結合のレベルに基づいて血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を決定する工程

本発明において、「遊離」とは、当該分子が血液中に分散して存在していることを言う。通常インスリンレセプターは、細胞膜表面に局在する蛋白質である。更に、インスリンレセプターは、骨格筋、脂肪組織、肝臓、脳などに多く発現していることが明らかにされている。つまり、リンパ球などの血液細胞では、インスリンレセプターの顕著な発現は見られない。したがって、血中には遊離のインスリンレセプターが存在するか否か不明であった。ところが実際には、血液中でもインスリンレセプターサブユニットが遊離していることが本発明者らによって明らかにされた。

インスリンレセプターの測定方法については、既に公知 (Human insulin receptor radioimmunoassay : applicablity to insulin-resistant state. Am. J. Phy

- 11 -

siol. 257 (Endocrinol. Metab. 20) E451-E457, 1989) である。しかし血中に遊離のインスリンレセプター α サブユニットが存在することは知られていないし、その測定方法も、確立されていない。わずかに血中における α サブユニットの存在の可能性を指摘した文献 (J Clin Endocrinol Metab. 1992 May;74(5):1116-21.)

5 があるのみである。

本発明において、血中に存在するインスリンレセプター α サブユニットは、インスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体との結合を利用して測定することができる。本発明に用いるインスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体は、公知の方法によって得ることができる。本発明において、インスリンレセプター α サブユニットの量は、試料中の濃度として測定することができる。試料の単位体積あたりの量が濃度であることはいうまでも無い。

たとえばインスリンレセプターの組み換え体を免疫原として、本発明に必要な抗体を得ることができる。本発明者らは、後に述べるようなアミノ酸配列をコードするcDNAの利用により、インスリンレセプター α サブユニットを細胞外に分泌させることができることを明らかにした。このようにして得ることができる分泌型のポリペプチド、あるいはその断片等も本発明の抗体を得るための免疫原に利用することができる。

たとえば配列番号：2に記載のアミノ酸配列をコードする分泌型のポリペプチド、あるいはその断片等は、本発明の抗体を得るための免疫原として有用である。

20 これらのポリペプチドは、公知のインスリンレセプター α サブユニットのcDNA、あるいは配列番号：1に示す塩基配列（またはその断片）を発現可能に保持するベクターで適当な宿主を形質転換することによって得ることができる。配列番号：1に記載の塩基配列を有するポリヌクレオチドは、ヒトインスリンレセプター遺伝子中、シグナルペプチド（-27~-1）、 α サブユニット（1~73

25 5）、および β サブユニットの一部（736~926）の領域を構成するアミノ酸配列をコードしている。カッコ内は各領域の配列番号：2における位置を示し

- 12 -

ている。

必要な塩基配列からなるDNAは、インスリンレセプター α サブユニット発現組織から調製したmRNAを利用してクローニングすることができる。あるいは、公知のインスリンレセプター α サブユニットのcDNAの塩基配列を改変して配列番号：1

- 5 に示した塩基配列からなるDNAを得ることもできる。このようにして発現されたインスリンレセプター α サブユニットの組み換え体は、本発明に用いる抗体を得るための免疫原として好ましい。

- また、配列番号：1に記載の塩基配列からなるDNAとストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、かつインスリンレセプター α サブユニットとの免疫学的同
- 10 等性を有する分泌型のポリペプチドをコードするポリヌクレオチドや、配列番号：1に記載の塩基配列と90%以上のホモロジーを有し、かつインスリンレセプター α サブユニットとの免疫学的同等性を有する分泌型のポリペプチドをコードするポリヌクレオチドを利用して、免疫原となるポリペプチドを取得し、インスリンレセプター α サブユニットの測定に使用する抗体を得てもよい。

- 15 あるいは、インスリンレセプター α サブユニットのドメインペプチドを免疫原に用いることもできる。免疫原とするドメインペプチドは、ペプチド合成装置によって容易に合成することができる。合成ペプチドはキャリアタンパク質に結合させることによって、免疫原とすることができる。

- 合成ペプチドをキャリア蛋白質に結合させるためには、マレイミドベンゾイル-
- 20 N-ヒドロスクシンイミド法 (maleimidobenzoyl-N-hydrosuccinimide method、以下MBS法と省略する) 等が一般に用いられている。具体的には、合成ペプチドにシステインを導入し、そのSH基を利用してMBSによってKLHと架橋させる。システイン残基の導入は、合成したペプチドのN末端であっても、C末端であってもよい。
- なおキャリアタンパク質には、KLHのほかにもウシ血清アルブミン等の任意のタン
- 25 パク質を用いることができる。KLHは、免疫原性が強いことから好ましいキャリアタンパク質のひとつである。

- 13 -

こうして得られた免疫原を、適当なアジュバントと混合して免疫動物に免疫する。アジュバントには、フロイントコンプリートアジュバント(FCA)、あるいはインコンプリートアジュバント等が公知である。免疫操作は、抗体価の上昇が確認されるまで適当な間隔で繰り返される。本発明における免疫動物は特に限定されない。具体的には、マウス、ラット、あるいはウサギなどの一般的な免疫動物を利用することができる。

抗体をモノクローナル抗体として得る場合には、その產生に有利なものを利用すれば良い。たとえばマウスでは、細胞融合用の骨髄腫細胞株が多く知られているうえに高い確率でハイブリドーマを樹立可能な技術が既に確立されている。したがってマウスは、望ましい免疫動物のひとつである。

更に、免疫処理は *in vivo* に限定されない。培養した免疫担当細胞をインビトロで免疫感作する方法を採用することもできる。これらの方法によって得られた抗体産生細胞を、形質転換させクローニングを行う。モノクローナル抗体を得るために抗体産生細胞を形質転換する方法は、細胞融合に限定されない。たとえば、ウイルスの感染によってクローニング可能な形質転換体を得る方法が知られている。

本発明に用いるモノクローナル抗体を產生するハイブリドーマは、各種の抗原に対する反応性に基づいてスクリーニングすることができる。具体的には、まず、免疫原として用いたインスリンレセプター α サブユニットやそのドメインペプチドに対する結合活性を指標に抗体産生細胞を選ぶ。スクリーニングで選出されたポジティブクローンは、必要に応じてサブクローニングされる。

樹立したハイブリドーマを適当な条件の下で培養し、產生される抗体を回収すれば本発明に用いるモノクローナル抗体を得ることができる。ハイブリドーマは、ホモハイブリドーマの場合には同系の動物の腹腔に接種して生体内培養が可能である。この場合、モノクローナル抗体は腹水として回収される。ヘテロハイブリドーマの場合にはヌードマウスを宿主として生体内培養が可能である。

- 14 -

生体内培養のみならず、適当な培養環境を与えて生体外で培養することも一般に行われている。たとえばRPMI1640やDMEM等の基礎培地がハイブリドーマの培地として一般に利用されている。これらの培地には、抗体産生能を高く維持するために動物血清等の添加剤を加えることができる。生体外でハイブリドーマを培養する場合には、モノクローナル抗体は培養上清として回収することができる。培養上清は、培養終了時に細胞から分離することにより回収することもできるし、あるいはホローファイバーを応用した培養装置においては、培養を継続しながら連続的に回収することも可能である。

腹水や培養上清として回収したモノクローナル抗体は、飽和硫酸塩析によりそのイムノグロブリン分画を分取し、更にゲルろ過やイオン交換クロマトグラフィー等の精製工程を経て本発明に用いるモノクローナル抗体とする。この他にモノクローナル抗体がIgGであれば、プロテインAカラムやプロテインGカラムによるアフィニティクロマトグラフィーに基づく精製方法が有効である。

一方、本発明に用いる抗体をポリクローナル抗体として得るには、免疫後に抗体価の上昇した個体から採血し、その血清を分離することにより抗血清を得ることができる。抗血清から公知の方法でイムノグロブリンを精製し、本発明に用いる抗体とすることができる。イムノグロブリンの精製において、インスリンレセプター α サブユニットをリガンドとするイムノアフィニティクロマトグラフィーを組み合わせれば、インスリンレセプター α サブユニット特異抗体とすることができる。

また、以下に示す市販の抗体を組み合わせることで本発明の測定に用いることができる。例えば、モノクローナル抗体としては、抗ヒトインスリンレセプターアルファサブユニット (Neomarker MS632) (LabVision社)、抗ヒトインスリンレセプターアルファサブユニット (IM0365) (イムノテック社)、MAB1138 (ケミコン社) などが挙げられる。ポリクローナル抗体としては、抗ヒトインスリンレセプターアルファサブユニット (ウサギ) H-78 (サンタクルーズ社) などを用いるこ

とができる。

インスリンレセプター α サブユニットに対する抗体が、インスリンレセプター α サブユニットと接触すると、抗体は、抗原抗体反応によって当該抗体が認識する抗原決定基（エピトープ）に結合する。抗原に対する抗体の結合は、各種のイ
ムノアッセイの原理によって検出することができる。イムノアッセイは、不均一
5 系の分析方法と、均一系の分析方法に大別される。イムノアッセイの感度と特異性を高い水準に維持するためには、モノクローナル抗体の利用が望ましい。各種のイムノアッセイフォーマットによる本発明のインスリンレセプター α サブユニットの測定方法について、具体的に述べる。

10 まず、不均一系イムノアッセイによるインスリンレセプター α サブユニットの測定方法について述べる。不均一系イムノアッセイにおいては、インスリンレセプター α サブユニットに結合した抗体を結合しなかったものと分離して検知するしくみが必要である。

分離を容易に行うために固相化試薬が一般に用いられる。たとえば、まずイン
15 スリンレセプター α サブユニットを認識する抗体を固定した固相を用意する（固相化抗体）。これにインスリンレセプター α サブユニットを結合させ、更に標識した第2抗体を反応させる。

固相を液相から分離し、更に必要に応じて洗浄すれば、固相上にはインスリン
レセプター α サブユニットの濃度に比例して第2抗体が残る。第2抗体を標識し
20 ておけば、この標識に基づくシグナルを測定することによりインスリンレセプター α サブユニットを定量することができる。

抗体の固相への結合方法は、任意である。たとえばポリスチレンなどの疎水性
素材には、抗体を物理的に吸着させることができる。あるいは、各種の官能基を
表面に有する素材に対して、抗体を化学的に結合させることもできる。更に、結
25 合性のリガンドで標識された抗体を、当該リガンドの結合パートナーで捕捉することによって固相に結合することもできる。結合性リガンドとその結合パートナ

- 16 -

一の組み合わせとしては、アビジン-ビオチンなどを示すことができる。固相と抗体とは、第2抗体との反応と同時、あるいはその後に結合させることができる。

同様に第2抗体の標識化も、必ずしも直接標識でなくてもよい。すなわち、抗体に対する抗体や、アビジン-ビオチンといった結合性の反応を利用して間接的

5 に標識することもできる。

インスリンレセプター α サブユニット濃度が既知の標準試料によって得られたシグナル強度に基づいて、試料中のインスリンレセプター α サブユニット濃度が決定される。

上記不均一系イムノアッセイのための固相化抗体および第2抗体は、インスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体、あるいはその抗原結合部位を含む断片であれば、任意の抗体を利用することができる。したがって、モノクローナル抗体、ポリクローナル抗体、あるいは両者の混合物や組み合わせであってよい。なお両者をモノクローナル抗体とするときには、異なるエピトープを認識するモノクローナル抗体を組み合わせるのが好ましい。

15 このような不均一系イムノアッセイは、測定対象抗原を抗体で挟むことからサンドイッチ法と呼ばれている。サンドイッチ法は、測定感度や再現性に優れるため、本発明における好ましい測定原理の1つである。

不均一系のイムノアッセイには、競合阻害反応原理を応用することもできる。すなわち、抗体に対する既知濃度のインスリンレセプター α サブユニットの結合を、試料中のインスリンレセプター α サブユニットが競合的に阻害する現象に基づくイムノアッセイである。既知濃度のインスリンレセプター α サブユニットを標識しておき、抗体に反応した（またはしなかった）インスリンレセプター α サブユニットを測定すれば試料中のインスリンレセプター α サブユニット濃度を決定することができる。

25 既知濃度の抗原と試料中の抗原とを同時に抗体に反応させれば競合的な反応系が成立する。また試料中の抗原と抗体の反応後に既知濃度の抗原とを反応させれ

ば、阻害的な反応系による分析が可能である。いずれの反応系においても、抗体、あるいは試薬成分として用いる既知濃度の抗原のいずれか一方を標識成分とし、他方を固相化試薬としておくことにより操作性に優れる反応系を構成することができる。

- 5 これら不均一系のイムノアッセイにおいて、標識成分としては放射性同位元素、蛍光物質、発光物質、酵素活性物質、肉眼的に観察可能な物質、あるいは磁氣的に観察可能な物質などが用いられる。これらの標識物質の具体例を以下に示す。

酵素活性物質：

- | | | |
|----|-------------|--------------|
| | ペルオキシダーゼ | グルコースオキシダーゼ |
| 10 | アルカリホスファターゼ | 乳酸脱水素酵素、あるいは |
| | ウレアーゼ、カタラーゼ | アミラーゼ等 |

- 15 蛍光物質：

フルオレセインイソチオシアネート、
テトラメチルローダミンイソチオシアネート、
置換ローダミンイソチオシアネート、あるいは
ジクロロトリアジンイソチオシアネート等

- 20 放射性同位元素：

トリチウム、
 ^{125}I 、あるいは
 ^{131}I 等

- 中でも酵素のような非放射標識は、安全性、操作性、感度等の点で有利な標識
25 のひとつである。酵素標識と抗体、あるいはインスリンレセプター α サブユニットとは、過ヨウ素酸法やマレイミド法等の公知の方法により結合することができる。

一方、固相としては、ビーズ、容器内壁、微粒子、多孔質担体、あるいは磁性粒子などが用いられる。これらの固相は、ポリスチレン、ポリカーボネート、ポ

- 18 -

リビニルトルエン、ポリプロピレン、ポリエチレン、ポリ塩化ビニル、ナイロン、ポリメタクリレート、ラテックス、ゼラチン、アガロース、ガラス、金属、あるいはセラミック等の素材を利用して成型されたものを利用できる。これらの固相素材の表面に、抗体等を化学的に結合するための官能基を導入した固相素材も知られている。固相と抗体（あるいは抗原）についても、ポリ-L-リジンやグルタルアルデヒド処理といった化学的な結合や、物理吸着といった公知の結合方法を応用することができる。

ここで例示した不均一系のイムノアッセイでは、いずれも固相／液相の分離工程や洗浄工程が必要となるが、サンドイッチ法の変法であるイムノクロマトグラフ法によれば、これらの工程を簡単に処理することが可能である。

すなわち、毛管現象によって試料溶液の移送が可能な多孔質担体に固相化抗体を固定し、その中を標識抗体と混合したインスリンレセプター α サブユニット含有試料を毛管現象によって展開する。展開中にインスリンレセプター α サブユニットは標識抗体と反応し、更に固相化抗体と接触すると、その位置に捕捉される。インスリンレセプター α サブユニットと反応しなかった標識抗体は、固相化抗体に捕捉されることなく通過する。

結果的に固相化抗体の位置に残る標識抗体のシグナルを指標にインスリンレセプター α サブユニットの存在を検知することができる。標識抗体を多孔質担体の上流に予め保持させておけば、試料溶液の滴下だけで全ての反応が開始し完結するので、きわめて簡便な反応系を構成することができる。イムノクロマトグラフ法においては、着色粒子のような肉眼的に識別しうる標識成分を組み合わせることにより、特殊な読取装置さえ不要な分析デバイスを構成することができる。

続いて均一系のイムノアッセイについて説明する。以上のような反応液の分離を必要とする不均一系の免疫学的分析方法に対して、均一系の分析方法によってもインスリンレセプター α サブユニットを測定することができる。均一系の分析方法では、抗原抗体反応の反応生成物を反応液から分離することなく検出するこ

とができる。

- 抗原抗体反応に伴って生成する沈降物を観察することにより、抗原性物質の定量的な分析を行う免疫学的沈降反応は、代表的な均一系の分析方法である。免疫学的沈降反応にはポリクローナル抗体を利用するのが一般的である。モノクローナル抗体を応用する場合には、インスリンレセプター α サブユニットに対して異なるエピトープに結合する複数種のモノクローナル抗体を利用するのが好ましい。
- 5 免疫学的な反応に伴う沈降反応生成物は、肉眼的に観察することもできるし、あるいは光学測定することにより数値化することもできる。

- 液相中での免疫学的な複合体の形成を利用したこれらの免疫学的分析方法に対して、ゲル中で反応を行う方法も公知である。たとえば、オクテロニー法、SRID法、あるいは免疫電気泳動法などがそうである。これらのゲル中での反応に基づく分析方法においても、複数種のモノクローナル抗体の利用によって明瞭な沈降線を観察できるようになる。
- 10

- 抗体を感作した微粒子の抗原による凝集を指標とする免疫学的粒子凝集反応も、一般的な均一系の分析方法である。この方法でも先に述べた免疫学的沈降反応と同じように、ポリクローナル抗体、あるいは複数種のモノクローナル抗体の組み合わせを利用することができる。微粒子への抗体の感作は、抗体の混合物を感作しても良いし、あるいは抗体ごとに感作した粒子を混合することによって調製することもできる。こうして得られた微粒子は、インスリンレセプター α サブユニットとの接触により、マトリクス状の反応生成物を生じる。反応生成物は、粒子の凝集として検出することができる。粒子の凝集は、肉眼で観察することもできるし、光学測定することにより数値化することもできる。
- 15
- 20

- 均一系のイムノアッセイとして、エネルギー転移や酵素チャンネルングに基づく免疫学的分析方法が知られている。エネルギー転移を利用した方法においては、抗原上の接近したエピトープを認識する複数の抗体に対して、それぞれドナー／アクセプターの関係にある異なる光学標識を結合させるようにする。免疫学的な
- 25

- 20 -

反応が起きると両者が接近するため、エネルギー転移現象が生じ、消光や蛍光波長の変化といったシグナルにつながる。一方、酵素チャンネリングとは、やはり接近したエピトープに結合する複数の抗体に対し、一方の反応生成物が他方の基質となっているような関係にある酵素の組み合わせを標識として利用する。免疫学的な反応によって両者が接近すると、酵素反応が促進されることから両者の結合を酵素反応速度の変化としてとらえることができる。

本発明はまた、インスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体を含む、血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの測定用試薬を提供する。血中に遊離インスリンレセプター α サブユニットが存在することは本発明者らが得た新規な知見である。したがって、インスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体が、血中の遊離インスリンレセプター α サブユニット測定用試薬として有用であることも新規に見出された知見である。本発明の測定用試薬を構成する抗体は、上記のようなアッセイフォーマットに応じて、標識したり、あるいは固相に結合しておくことができる。

ここに例示した各種免疫学的分析方法に必要な標識抗体（あるいは抗原）や固相化抗体（あるいは抗原）は、濃度を検定したインスリンレセプター α サブユニット標準、希釈や洗浄に用いられる緩衝液等と組み合わせたキットとすることができる。

本発明によるインスリンレセプター α サブユニットの測定方法には、血液試料が用いられる。血液試料とは、全血、全血から分離された血清や血漿が含まれる。全血は、血球成分を溶血させた後に、分析試料とすることもできる。更に、血液試料は、必要に応じて希釈することができる。

血中にインスリンレセプター α サブユニットが遊離の状態が存在していることは、本発明者らによって明らかにされた新規な知見である。血中のインスリンレセプター α サブユニットは、健常者にも見出される。しかしマウスを用いた実験では、血中へのインスリンレセプター α サブユニットの投与は、高血糖とインス

- 21 -

リン分泌量の上昇をもたらした。したがって、血中のインスリンレセプター α サブユニットは、糖尿病(2型糖尿病)のリスクファクター、あるいは2型糖尿病の増悪因子として重要である。そして、生体における血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットの測定は、被検者の糖尿病のリスクを評価するために有用な情報であると言える。

本発明者らは、血中に遊離型のインスリンレセプター α サブユニットが存在することを明らかにした。遊離型のインスリンレセプター α サブユニットを免疫アッセイによって測定するためには、それを認識する抗体が必要である。また、その抗体に対して生体中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットと同様の反応性を有する標準試料として利用可能な抗原が必要である。本発明は、このよ

10 うな抗体を得るための免疫原、あるいは標準試料として利用することができるインスリンレセプター α サブユニットの製造に有用なポリヌクレオチドを提供する。

すなわち本発明は、以下の(a)-(d)のいずれかに記載のポリヌクレオチド、および該ポリヌクレオチドによってコードされるポリペプチドに関する。

- 15 (a) 配列番号：1 に記載の塩基配列を有するポリヌクレオチド
- (b) 配列番号：2 に記載のアミノ酸配列をコードするポリヌクレオチド
- (c) 配列番号：1 に記載の塩基配列からなるDNAとストリンジェントな条件下でハイブリダイズし、かつインスリンレセプター α サブユニットとの免疫学的同等性を有する分泌型のポリペプチドをコードするポリヌクレオチド
- 20 (d) 配列番号：1 に記載の塩基配列と90%以上のホモロジーを有し、かつインスリンレセプター α サブユニットとの免疫学的同等性を有する分泌型のポリペプチドをコードするポリヌクレオチド

(a) 配列番号：1 に記載の塩基配列を有するポリヌクレオチドは、ヒトインスリンレセプター遺伝子中、それぞれ以下の領域を構成するアミノ酸配列をコードしている。カッコ内に各領域の配列番号：2における位置を示した。また配列番号：1 に記載の塩基配列によってコードされるアミノ酸配列は、図2にアンダー

25

- 22 -

ラインをつけて示した。

シグナルペプチド (−27〜−1)

αサブユニット (1〜735)、および

βサブユニットの一部 (736〜926)

- 5 このようなポリヌクレオチドは、配列番号：1に示した塩基配列に基づいて、
当業者が合成することができる。あるいは公知のインスリンレセプターのcDNAか
ら、必要な塩基配列を取得することもできる。たとえば実施例においては、ヒト
インスリンレセプター遺伝子を制限酵素SspIで消化することにより、配列番号：
1に記載の塩基配列からなるポリヌクレオチドを得ている。
- 10 本発明者らは、ヒトインスリンレセプターαサブユニットに対してβサブユニ
ットの一部分を付加したアミノ酸配列を発現させたときに、発現生成物が細胞外に
効率的に分泌されることを見出した。一般に細胞膜上に発現するレセプター分子
は、細胞膜成分の除去が障害となって、精製が容易でない。あるいは細胞膜成分
の除去によって、レセプター分子そのものの構造が維持できなくなる場合があつ
た。したがって、レセプター分子を分泌型の蛋白質として発現させることは、製
15 造技術として有用である。

- 本発明は、遊離型のインスリンレセプターαサブユニットの標準試料あるいは
免疫原として有用なポリペプチドの産生を目的とする。細胞外に分泌された組み
換え体は、生体における存在形態と同じ遊離型の分子とみなすことができる。つ
まり、たとえば組織から抽出された細胞膜上のレセプター分子に比べて、分泌型
20 の蛋白質として発現させた本発明のポリペプチドは、標準試料あるいは免疫原と
して好ましい。

- 本発明のポリヌクレオチドは、前記(c)または(d)に記載のポリヌクレオチドを
含む。本発明において、免疫学的同等性は、抗体との反応性に基づいて決定する
25 ことができる。すなわち、血中の遊離のインスリンレセプターαサブユニットに
対する抗体の反応性を、ある蛋白質が吸収するとき、この蛋白質は、血中の遊離

- 23 -

のインスリンレセプター α サブユニットと免疫学的に同等であると言えることができる。更にある蛋白質を適当な宿主細胞において発現させたときに、その蛋白質が細胞の培養上清に分泌されれば、当該蛋白質が分泌型であることを証明することができる。通常、インスリンレセプター遺伝子を形質転換体において発現させた場合には、 β サブユニットの膜貫通ドメインの機能によって、レセプター分子は細胞膜上に局在し、培養上清中に α サブユニットを見出すことは難しい。

前記インスリンレセプター α サブユニットと免疫学的に同等なタンパク質において変異するアミノ酸の数は、免疫学的な同等性を保持する限り制限されない。インスリンレセプター α サブユニットの場合、変異するアミノ酸の数は通常、100
10 アミノ酸以内であり、好ましくは50アミノ酸以内であり、さらに好ましくは30アミノ酸以内であり、さらに好ましくは10アミノ酸以内である。またその変異部位は、免疫学的な同等性を保持する限り制限されない。

アミノ酸配列の変異は、人為的なものであっても、自然において生じる変異であってもよい。アミノ酸を置換する場合には、保存的置換を利用することができる。一般に蛋白質の機能の維持のためには、置換するアミノ酸は、置換前のアミノ酸と類似の性質を有するアミノ酸であることが好ましい。このようなアミノ酸残基の置換が、保存的置換と呼ばれている。

例えば、Ala、Val、Leu、Ile、Pro、Met、Phe、Trpは、いずれも非極性アミノ酸に分類されるため、互いに似た性質を有する。また、非荷電性のアミノ酸としては、Gly、Ser、Thr、Cys、Tyr、Asn、Glnが挙げられる。あるいは、酸性アミノ酸としては、AspおよびGluが挙げられる。更に、塩基性アミノ酸としては、Lys、Arg、Hisが挙げられる。これらの各グループを構成するアミノ酸は、互いに似た性質を有している。そのため、グループ内の他のアミノ酸に置換したときに、蛋白質の機能が維持される可能性が高い。

20 25 このような蛋白質は、配列番号：1に記載の塩基配列に変異を導入することによって得ることができる。既知の塩基配列からなる遺伝子に変異を導入する技術

- 24 -

は公知である。あるいは、化学合成によって目的とするアミノ酸配列からなる蛋白質を調製することもできる。

また、前記免疫学的に同等なタンパク質を単離するための他の方法としては、ハイブリダイゼーションスクリーニングを利用することができる。たとえば、配
5 列番号：1に記載の塩基配列からなるポリヌクレオチド、またはその断片を利用して、これと相同性の高いDNAを単離することは当業者にとって容易である。次に、こうして単離されたDNAの中から、配列番号：2に記載のアミノ酸配列からなるポリペプチドと免疫学的に同等な蛋白質をコードするDNAを選択することも、当業者が通常行いうることである。

10 このように配列番号：1に記載の塩基配列からなるDNAとハイブリダイズするDNAがコードするポリペプチドであって、配列番号：2に記載のアミノ酸配列からなるポリペプチドと免疫学的に同等なポリペプチドもまた本発明のポリペプチドに含まれる。免疫学的に同等なポリペプチドをコードするDNAを単離するためのハイブリダイゼーションのストリンジェンシーは、当業者であれば適宜選択すること
15 ができる。

ハイブリダイゼーションの条件としては具体的には、例えば5×SSC、ホルムアミド非存在下で25℃の条件が挙げられる。好ましくは6×SSC、40%ホルムアミドで25℃で行う。更に好ましくは5×SSC、50%ホルムアミドで40℃で行う。ハイブリダイゼーション後の洗浄は、例えば、2×SSC、37℃で洗浄する。好ましくは1×
20 SSC、55℃で洗浄する。更に好ましくは1×SSC、60℃で洗浄する。

また、ハイブリダイゼーションスクリーニングに代えて、配列番号：1に記載の塩基配列の一部に相補的なオリゴヌクレオチドをプライマーとして、PCR法を利用して本発明のポリヌクレオチドを単離することもできる。

上記ハイブリダイゼーションスクリーニングまたはPCR法により単離することが
25 できる、配列番号：2に記載のアミノ酸配列からなるポリペプチドと免疫学的に同等なポリペプチドをコードするポリヌクレオチドは、通常、配列番号：1に記

- 25 -

載の塩基配列と高い相同性を有する。本発明における高い相同性とは、ポリヌクレオチドの一部ではなく全体にわたって少なくとも20%以上、好ましくは30%以上、さらに好ましくは40%以上、さらに好ましくは60%以上、さらに好ましくは80%以上の配列の同一性を有することを言う。塩基配列の相同性を
5 決定するためのアルゴリズムが公知である（宮田隆ら著「コンピューターによる遺伝子のホモロジー解析」（遺伝子研究法Ⅰ、東京化学同人））。

本発明のポリヌクレオチドは、例えば、組み換えタンパク質の生産に用いることが可能である。本発明のポリペプチドを組み換えタンパク質として生産するための宿主としては、大腸菌、酵母、昆虫細胞、動物細胞等を用いることができる。

10 宿主細胞に応じて、それぞれ適切なベクターが特定される。各宿主細胞には、たとえば次のような発現ベクターを用いることができる。

大腸菌：pGEX5X-3（ファルマシア）など

酵母：pYES2（インビトロゲン）など、

昆虫細胞：pVL1392（インビトロゲン）など、

15 動物細胞：pRc/CMV2（インビトロゲン）など

これらのベクターの宿主への導入方法としては、生物学的方法、物理的方法、化学的方法などが当業者に知られている。生物学的方法としては、例えば、ウイルスベクターを使用する方法を挙げることができる。物理的方法としては、例えば、エレクトロポレーション法、ジーンガン(GENEGUN)法、あるいはマイクロイン
20 ジェクション法が挙げられる。また、化学的方法としては、例えば、リポフェクション法、リン酸カルシウム法、DEAE-Dextran法が挙げられる。

宿主内で生産された組換えタンパク質は、任意の方法で精製することができる。具体的には、イオン交換カラム法、アフィニティークラム等を利用する方法などが一般に用いられている。組み換えタンパク質をGSTや6×Hisなどとの融合タンパク質として発現させることによって、検出や精製を容易にする方法も公知である。
25

前記(a)-(d)に記載されたポリヌクレオチドは、いずれもインスリンレセプター

- 26 -

α サブユニット（または免疫学的同等性を有するポリペプチド）を分泌型の蛋白質として発現させるために利用することができる。細胞外に分泌されたインスリン α サブユニットは、培養上清から容易に回収することができる。あるいは、培養上清をそのまま標準試料や免疫原として用いることもできる。

- 5 たとえば、血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットを測定するための標準試料は、次のようにして製造することができる。まず、前記の形質転換体の培養上清を回収する。回収された培養上清は、そのまま、あるいは目的の発現生成物を精製した後に、発現生成物の量を検定する。発現生成物が純粋な蛋白質として精製された場合には、その蛋白質濃度を測定することによって、発現生成物の量を決定することができる。あるいは培養上清のように、もしも不純物が混在するときには、各種のクロマトグラフィーや電気泳動法などによって、目的とする発現生成物を単離して、その量を決定することができる。発現生成物の量が決定されれば、当該蛋白質の標準試料として利用することができる。
- 10

- なお、配列番号：2に記載のアミノ酸配列は、ヒトのインスリンレセプターに由来するアミノ酸配列である。このアミノ酸配列に対して、異なるアミノ酸配列を有するポリペプチドを発現生成物として利用した場合には、両者のアミノ酸配列の相違に基づいて、分子量の相違を補正することができる。
- 15

- 本発明において、ある蛋白質の標準試料とは、当該蛋白質としてどれだけの量の蛋白質が含まれているのかを、予め決定した試料を言う。標準試料は、必要に応じて希釈系列とすることができる。希釈系列について、先に述べたようなイムノアッセイによってシグナルが計測される。標準試料の蛋白質濃度と計測されたシグナルの関係を、標準曲線（standard curve、または検量線）として表すことができる。こうして作製された標準曲線に基づいて、実際の被検試料から得られたシグナルから当該試料に含まれる測定対象物質の濃度を決定することができる。
- 20
- 25 あるいは希釈系列の測定結果に基づいて回帰式を作製し、被検試料の測定値を代入することによって、当該試料に含まれる測定対象物質の濃度を決定することも

- 27 -

できる。

また本発明は、次の工程を含む、糖尿病の診断方法を提供する。

- a) 被検者の生体試料における、遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を測定する工程
 - 5 b) 該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を、対照と比較する工程、および
 - c) 該被検者の生体試料における該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量が対照と比較して高い場合に被検者が糖尿病であると判定する工程
- あるいは、本発明は、次の工程を含む、がんの診断方法を提供する。
- 10 (a) 被検者の生体試料中における、遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を測定する工程
 - (b) 該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を、対照と比較する工程、および
 - (c) 該被検者の生体試料における該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量
 - 15 が対照と比較して高い場合に被検者ががんであると判定する工程

- 本発明は、糖尿病、あるいはがん患者のインスリンレセプター α サブユニット量が健常者と比較して有意に高いことが初めて明らかにされたことに基づいている。インスリンレセプターは、インスリンに特異的に結合する糖蛋白で、分子量は約35~40万と大きく、 $\alpha 2\beta 2$ というサブユニット構造をとっている (α : 分子量12~13万, β : 9万)。
- 20 インスリンレセプターは、インスリン結合活性のみならずチロシン特異的プロテイン・キナーゼ活性を有しており、インスリンとの結合により活性化し、細胞内にシグナルを伝える。このためインスリンレセプターは、通常、筋肉などインスリンの標的組織の細胞膜上に局在する。骨格筋、脂肪組織、肝臓、脳などにインスリンレセプターが多く発現しているしていることが明らか
 - 25 になっているが、リンパ球などの血液細胞では、インスリンレセプターの顕著な発現は見られない。したがって従来は、血中には遊離のインスリンレセプターが

存在するか否か不明であった。

本発明の診断方法において、生体試料中の遊離のインスリンレセプターの量は、先に述べたような方法によって測定することができる。特にサンドイッチ法は、測定感度や再現性に優れるため、本発明における好ましい測定原理の1つである。

- 5 測定の結果は、対照と比較される。本発明において対照とは、たとえば健常者の生体試料の測定によって得られた遊離のインスリンレセプターの量を示すことができる。健常者とは、糖尿病あるいはがんでないことが明らかなヒトが含まれる。望ましくは、健常者とは、疾患を有していないことが明らかなヒトである。

- 本発明の診断方法において、生体試料とは、生体から採取された任意の試料が含まれる。具体的には、たとえば血液試料、尿試料、あるいは乳頭分泌物等は生体試料に含まれる。本発明の好ましい生体試料は血液試料である。本発明者らは、血液に遊離のインスリンレセプターが存在することを明らかにしている。血液試料は、血液から分離された血液分画を含む。具体的には、血清、血漿、あるいは血球成分を溶血させることによって得ることができる溶血試料などの試料は、血液試料に含まれる。これらの試料の調製方法は公知である。たとえば、被検者から採取された血液から調製された血液試料を用いて、本発明の診断方法を実施することができる。更に、血液試料は、必要に応じて希釈することができる。
- 10
15

- 本発明はまた、(1)成体から採取された血液試料中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの濃度を測定し、(2)対照と比較する工程を含む、糖尿病あるいはがんの検査方法を提供する。対照との比較の結果、有意に測定値が高い場合に、被検者は、糖尿病あるいはがんを有する可能性が高いことが明らかにされる。
- 20

- たとえば両者の比較の結果、健常者よりも遊離インスリンレセプター α サブユニットの量が高い場合には、被検者が糖尿病あるいはがんであると判定される。遊離インスリンレセプター α サブユニットの量の比較のためには、通常、たとえば健常者における前記遊離インスリンレセプター α サブユニットの量に基づいて、標準値が設定される。この標準値をもとに、一定の範囲が許容範囲とされる。一
- 25

- 29 -

般に、標準値の $\pm 2 S.D.$ ～ $\pm 3 S.D.$ が許容範囲とされる。本発明においては、対照と比較して測定値が高いことが指標となる。したがって、許容範囲として設定された値の最大値が、判定基準として利用されることになる。この判定基準として利用することができる値は、カットオフ値と呼ばれる。

- 5 一般に、マーカーとなる物質の測定値に基づいて、統計学的に標準値や許容範囲を設定する手法は公知である。被検者における遊離インスリンレセプター α サブユニットの量が許容範囲（カットオフ値）よりも高い値を示せば、その被検者は糖尿病であると予想される。また許容範囲内、あるいは許容範囲に満たない場合には、糖尿病あるいはがんの可能性は低いと予想される。
- 10 あるいは本発明に基づいて、被検者が糖尿病のリスクファクターを有するかどうかを予測することができる。実施例において示したように、血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットの存在は、糖尿病のリスクファクターである。したがって、たとえ被検者が糖尿病を有していない場合であっても、対照と比較して血中の遊離のインスリンレセプター α サブユニットの測定値が高い場合には、
- 15 被検者は糖尿病のリスクファクターを有すると予測することができる。リスクファクターの予測は、本発明における糖尿病の診断に含まれる。
- 本発明によるがんの診断方法においては、被験者の遊離インスリンレセプター α サブユニットの量が健常者よりも高い場合には、被検者はがんであると判定される。本発明において診断の対象となるがんの種類は限定されない。実施例に示
- 20 すとおり、遊離インスリンレセプター α サブユニットの量は、多様ながんの患者の生体試料において有意に高値を示した。したがって、本発明の診断方法によってがんを有する可能性があるとは判定されたときには、臓器を問わず、なんらかのがんを有している可能性があることを示している。本発明におけるがんは、原発巣か転移巣かを問わない。また本発明におけるがんは、固形がんにも限定されない。
- 25 い。しかし、好ましいがんとしては、固形がんを示すことができる。たとえば、肺、食道、すい臓、結腸、乳、肝、直腸、あるいは皮膚に生じるがんを、本発明

- 30 -

によって診断することができる。

- 本発明はまた、インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体からなる糖尿病あるいはがんの診断用試薬を提供する。血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットが糖尿病あるいはがんの診断に有用であることは本発明者らが得た新規な知見である。本発明の診断用試薬を構成する抗体は、上記のようなアッセイフォーマットに応じて、標識したり、あるいは固相に結合しておくことができる。

- 本発明において、インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体とは、たとえば配列番号：2に記載のアミノ酸配列から選択された連続するアミノ酸配列を有するペプチドを認識する抗体を含む。通常、抗体は、3アミノ酸残基以上のアミノ酸配列によって構成される抗原決定基を認識できるとされている。本発明における抗体によって認識される好ましいアミノ酸配列の長さは、通常3以上、好ましくは5以上、たとえば7～20アミノ酸残基である。8～9アミノ酸残基のペプチドは、一般に、当該タンパク質に固有の抗原決定基を構成しうる。

- 本明細書中に例示した各種免疫学的分析方法に必要な標識抗体（あるいは抗原）や固相化抗体（あるいは抗原）は、濃度を検定したインスリンレセプター α サブユニット標準、希釈や洗浄に用いられる緩衝液等と組み合わせたキットとすることができる。
- なお本明細書において引用された全ての先行技術文献は、参照として本明細書に組み入れられる。

図面の簡単な説明

- 図1は、実施例においてインスリンレセプター α サブユニットのCHO細胞における発現のために用いたcDNAによってコードされるアミノ酸配列と、インスリンレセプターの全長アミノ酸配列との関係を示す図である。

図2は、インスリンレセプター前駆蛋白質のアミノ酸配列に占める、各サブユニットのアミノ酸配列、および実施例において発現させた組み換え体のアミノ酸配列の関係を示す図である。図中、大文字で示したのが α サブユニット、 α サブユニットのN末端側とC末端側に小文字で示したアミノ酸配列が、それぞれシグナルペプチドと β サブユニットのアミノ酸配列である。 β サブユニットのアミノ酸配列中、ボックスで囲んだ部分が膜貫通領域(TM)である。図1におけるSspI切断断片によってコードされるアミノ酸配列にアンダーラインを付けて示した。

図3は、抗インスリンレセプター α サブユニット抗体カラムによる、インスリンレセプター α サブユニットの精製結果を示す写真である。抗インスリンレセプター(α サブユニット抗体、イムノテック0365)抗体カラムに吸着させたインスリンレセプター α サブユニットを、1.5M MgCl_2 含有ホウ酸ナトリウム緩衝液で溶出し、溶出液を200 μl ずつ分取した。それぞれのフラクションから20 μL をとり、7.5% SDS-PAGEし、銀染色した。

図4は、実施例において作製したインスリンレセプター α サブユニットの標準曲線(standard curve)を示すグラフである。図中、縦軸は450nmにおける吸光度を、横軸はサンプル中のインスリンレセプター α サブユニット濃度(ng/mL)を示す。

図5は、インスリンレセプター α サブユニットを投与したマウスにおける血糖値の経時的変化を示すグラフである。図中、縦軸は血糖値(mg/mL)を、横軸はインスリンレセプター α サブユニットを投与した時間を-10とする経過時間(分)を示す。

図6は、インスリンレセプター α サブユニット投与の10分後に、糖負荷を与えたマウスにおける血糖値の経時的変化を示すグラフである。図中、縦軸は血糖値(mg/mL)を、横軸はインスリンレセプター α サブユニットを投与した時間を-10とする経過時間(分)を示す。

図7は、健常者検体70例のインスリンレセプター α サブユニットの測定値分

- 32 -

布を示すグラフである。図中、縦軸は各測定値 (ng/mL) の度数 (人数) または累積 (%) を、横軸はインスリンレセプター α サブユニット濃度 (ng/mL) を示す。

図8は、糖尿病患者および健常人の血中インスリンレセプター α サブユニット濃度 (ng/mL) の有意差検定の結果を示す図である。

- 5 図9は、各種がん患者および健常者血清中のインスリン受容体 α サブユニット濃度の分布を示す図である。図中、縦軸は血清中のインスリン受容体 α サブユニット濃度測定値 (ng/mL) を、横軸は疾患 (がん) の種類を示す。

発明を実施するための最良の形態

- 10 以下実施例に基づいて、本発明をより具体的に説明する。

1. ヒトインスリン受容体 α サブユニット cDNA の構築

- CHO細胞でインスリンレセプター α サブユニットを培養上清中に分泌させるための cDNA を構築した。本実施例において構築した cDNA の構造を図1に示す。ヒトインスリン受容体の全長 cDNA (NM_000208) を含む pcDL1-HIR717 (Ebina et al. Cell. 15 40, 747-758, 1985) を利用し、異なる位置で切断して各 cDNA を得た。各 cDNA はそれぞれ次に示すような構造を有する。

CHO-HIR: インスリンレセプター α サブユニット + β サブユニット

CHO-HIR(α): インスリンレセプター α サブユニットのみ

CHO-HIR(PstI): α サブユニットと β サブユニットの N 末端側 1-150 アミノ酸

- 20 CHO-HIR(SspI): α サブユニットと β サブユニットの N 末端側 1-191 アミノ酸

β サブユニットの膜貫通ドメインは、N 末端側 195 - 217 に位置する。つまり CHO-HIR(PstI) および CHO-HIR(SspI) は、いずれも β サブユニットの一部を含むが、膜貫通ドメインは欠いている。図2において、 β サブユニットのアミノ酸配列 (C 末端側の小文字の部分) のうち、ボックスで囲んだ部分が膜貫通領域に相当する。

25 各 cDNA を動物細胞発現ベクター pCXN2 に挿入して hIR およびその改変体の発現プ

- 33 -

ラスミドを得た。それぞれの制限酵素はTakara (Otsu, Japan) 及びNew England Biolabs (Beverly, MA) より購入した。

2. 培養および遺伝子導入

チャイニーズハムスター卵巣(CHO)細胞は、F-12 Nutrient Mixture (Ham's F-12, Invitrogen, Carlsbad, CA) 培地を用いて5% CO₂インキュベーターで培養した。10 µgの1で得た各発現プラスミドを制限酵素Sca Iにより直線化し、0.5 µgプラストサイジン(pSV2-bsr, Funakoshi, Tokyo, Japan)と共にエレクトロポレーションによりCHO細胞に導入した。トランスフェクションから24時間後より10 µg/mlプラストサイジン耐性F-12培地に交換し、2週間後に残ったコロニーを単離した。hIRの発現については、ポリアクリルアミド電気泳動および抗IR α 抗体を用いたウェスタンブロッティングにより確認した。

3. α サブユニットの精製

発現量の高いクローンを10% FCSを含むF-12培地で増幅し、150 mm細胞培養ディッシュ(Corning)を用いて培養した。100%まで培養後、HEPES緩衝液 [20 mM HEPES (pH 7.4), 140mM NaCl, 5 mM KCl, 2.5 mM MgCl₂, 1 mM CaCl₂] で3回洗浄後、ディッシュ1枚あたり20 mlの無血清培地(CHO-S-SFM II DPM, Invitrogen)に交換した。

4日間培養した培地を回収し、遠心分離(1300×g、10分、4℃)により細胞成分を除去した後の上清を集めた。上清1 mlあたり6 µl(50% 懸濁液)の小麦胚芽レクチン(WGA)アガロース (Amersham) を加え、4℃で2時間ローテートして吸着させた。アガロースは5回洗浄した。1回目と5回目はHEPES緩衝液 [50 mM HEPES (pH 7.4)、150 mM NaCl, 1% Triton X-100] で洗浄した。2～4回目の洗浄液は、塩濃度を500 mMとした。吸着したタンパクは0.2 M N-アセチルグルコサミン含有HEPES緩衝液で溶出した。抗インスリンレセプター (α サブユニット抗体、イムノテック0365) 抗体カラム(ベットボリウム; 0.5 ml)に溶出したサンプルを加えて4℃で1時間ローテートして吸着させた。ベットボリウムの10倍量のHEPES緩衝液でカラムを3回洗浄したが、この時も2回目の洗浄は塩濃度を500 mMに高めた。

- 34 -

1. 5M MgCl_2 含有ホウ酸ナトリウム緩衝液で200 μL ずつ分取した。

各フラクションにおけるインスリンレセプター α サブユニットの精製度は、次のようにして評価した。まずそれぞれのフラクションから20 μL をとり、7.5% SD S-PAGE及び銀染色を行った。染色後のゲルの写真を図3に示した。インスリンレセプター α サブユニットに相当する分子量を有する蛋白質が、ほぼ純粋な蛋白質として単離されていることが確認できた (IR α で示したバンド)。染色後のゲルを透過型スキャナーで読みとりNIHイメージソフトウェアで評価した。蛋白質濃度はprotein assay dye reagent (BioRad, Hercules, CA) を用いてBSAを標準にしてBradford 法により定量した。

10 4. 抗ヒトインスリンレセプター α サブユニット抗体の作製

精製したヒトインスリンレセプター α サブユニットを用いて、ウサギ (日本白色メス 3.5kg) に対し皮下免疫した (約10箇所、1回/週)。5回免疫後に耳下静脈より少量を採血し、血清を分離してELISAにより抗体価をチェックした。

まず1/100M生理的リン酸化緩衝食塩液 (PBS) にヒトインスリンレセプター α サブユニットを溶解して0.1mg/mLの溶液を調製し、この溶液をヌンク社製96穴マイクロプレート「マキシソープ」に100 μL 添加した。室温 (20~25°C) で3時間放置した後、ウェル内の溶液を吸引除去し、5%のウシ血清アルブミンを含むPBS30 μL を加えた。約18時間4°Cに静置し、カップの未反応部分をブロックした。ブロッキング液を除き300 μL のPBSで3回洗浄してELISA用プレートとした。

20 PBSで希釈した抗血清を希釈し、希釈の系列を作製した。希釈した抗血清100 μL をELISAプレートの各ウェルに加えた。室温 (20~25°C) で1時間静置した後、反応液を除き、続いて30 μL のPBSで4回洗浄した。次に、希釈したペルオキシダーゼ標識抗ウサギIgG ((株) 医学生物学研究所製) 100 μL を加えた。室温 (20~25°C) で1時間静置反応させた後、再度30 μL のPBSで4回洗浄した。

25 洗浄後のウェルに3, 3', 5, 5'-テトラメチルベンジジンと過酸化水素の溶液100 μL を発色基質として加えた。一定時間反応させた後1規定硫酸を添加して反応を停

- 35 -

止し、波長450nmにおける吸光度を測定した。測定結果を図4のグラフに示す。この結果から明らかなように、得られた抗血清は十分な抗体価を示した。このように十分な抗体価を示したウサギについては耳下静脈より70mlの採血を行い、約30mlの抗血清を得た。さらに、このようにして得たポリクローナル溶液からDEAEセ

5 ロースカラムを用いてIgG分画を精製した。

5. 標識抗体の作製

0.1 M炭酸緩衝液(pH8.5)に溶解した抗ウサギIgGモノクローナル抗体(2B9、5 μ g/mL)とNHS-LC-BIOTIN (PIERCE社製 25 μ g/mL)を混合し、室温で4時間スターラーを用いて攪拌した。IgGとNHS-LC-BIOTINは、モル比が1:60になるように混合した。攪拌後、この溶液を生理的リン酸緩衝液(PBS)に透析し、ビ

10 オチン標識抗体を得た。

6. ヒトインスリン受容体 α サブユニットのELISAの構築

抗ヒトインスリン受容体 α サブユニット抗体を40 μ g/mL~80 μ g/mLの濃度になるように0.1M炭酸塩緩衝液(pH9.6)で希釈調製した。希釈した抗体溶液を96穴のマイクロプレート(NUNC社製、イムノブレイクアパートモジュールマキシソープ#473768)の各ウェルに100 μ Lずつ分注した。マイクロプレートは、湿潤箱中で2~8℃、一晩放置して抗体を結合させた。

15

インキュベート後、抗体溶液を捨て、PBSで2回洗浄した。余分な水分を除去した後ブロッキング液(1%BSA、0.1%NaN₃を含むPBS)を1ウェル当たり200 μ L加えた。マイクロプレートを湿潤箱中で2~8℃、一晩静置してブロッキングした。ブロッキング後、ブロッキング液を捨て余分な水分を除去した。更にプレートを風乾し、使用時まで乾燥剤と共にアルミ袋に保存した。

20

7. ELISAの評価

精製ヒトインスリン α サブユニットを検体希釈用緩衝液(20mM Tris-HCl, 150mM NaCl, 1% BSA, 10% 正常マウス血清、25mg/mL MAK33, 0.1%NaN₃、1% ウシγグロブリン、0.056% Tween 20, pH7.5)で希釈しスタンダードとした。検体は検

25

- 36 -

体希釈液で2倍希釈し、抗体感作マイクロプレートに1ウエル当たり100 μ Lずつ分注して室温で3時間反応させて抗体・抗原複合物を形成させた。

反応後のウエルを、洗浄用緩衝液 (PBS+0.05% Tween 20) で5回洗浄した。余分な水分を除いた後、検体希釈用緩衝液で希釈したビオチン標識抗体を1ウエル
5 当たり100 μ Lずつ分注し、室温で3時間反応させた。反応後、同じ洗浄用緩衝液で5回洗浄した。余分な水分を除いた後、アビジンHRP希釈用緩衝液 (20mM Tris-HCl, 150mM NaCl, 1% BSA, 0.15% Proclin, pH7.5) で希釈したアビジン標識ペルオキシダーゼを1ウエル当たり100 μ L添加して室温で3時間反応させた。この反応により、抗体・抗原・ビオチン化抗体・アビジン標識ペルオキシダーゼ複
10 合物を形成させた。

反応後のウエルを洗浄用緩衝液で5回洗浄した。余分な水分を除いた後、TMB発色基質 (MOS S社、TMBH-100) を1ウエル当たり100 μ L添加した。室温で約20分間反応させて発色させた後、1ウエル当たり100 μ Lの1規定硫酸を加えて発色を停止した。次いで波長450nmにおける吸光度を測定した。検体中のインスリン
15 レセプター α サブユニットの濃度は、スタンダードの吸光度より作成した検量線から読み取った。上記のようにして構築したELISAによって、インスリンレセプター α サブユニットを測定できることが確認された。

8. インスリンレセプター α サブユニットの投与の影響

8-10週令の雄マウスを16時間絶食後、pentobarbital麻酔し頸静脈より精
20 製したインスリンレセプター α サブユニットを100ng投与した。インスリンレセプター α サブユニットは、0.1%BSAを含む50 μ Lの生理食塩水に溶解して投与した。インスリンレセプター α サブユニット投与後のマウスから、経時的に尾静脈より採血し血糖値を測定した。対照として、0.1%BSAを含む50 μ Lの生理食塩水のみを同様にしてマウスに投与した。

25 結果は図5に示した。対照のマウスは絶食状態が続くため少しずつ血糖値は低下した。一方インスリンレセプター α サブユニットを血中投与したマウスでは、

- 37 -

血糖値の経時的な上昇が観察された。これは投与したインスリンレセプター α サブユニットがインスリンと結合することにより、インスリンの作用が阻害されたと考えられる。

9. インスリンレセプター α サブユニットの投与の影響 (グルコース負荷)

- 5 7と同じ条件でインスリンレセプター α サブユニットを投与した10分後に、
腹腔内にグルコース (2 g/Kg body weight)を投与した。グルコースの投与後に経
時的に尾静脈より採血し血糖値を測定した。対照として、0.1%BSAを含む50 μ Lの
生理食塩水のみを同様にして投与したマウスに、同量のグルコースを投与した。

- 結果は図6に示した。インスリンレセプター α サブユニットを投与すると、グ
10 ルコース負荷試験で耐糖能異常を示すことが確認された。以上の2つの結果は、
インスリンレセプター α サブユニットが血中に存在すると、インスリンと結合し
インスリン作用を阻害し、血糖値を上昇させ、糖尿病の増悪因子になる可能性が
高いことを示す。

10. 糖尿病患者血清中のインスリン受容体 α サブユニットの測定

- 15 2種類の抗ヒトインスリン受容体 α サブユニットモノクローナル抗体 (マウス)
を用いて、血中のインスリン受容体 α サブユニットを測定するサンドイッチELISA
を開発した。

- 標識抗体は上記の方法に従い、モノクローナル抗体を用いて作成した。0.1M炭
酸緩衝液 (pH8.5) に溶解した抗 α サブユニットモノクローナル抗体(IM0365)5 μ
20 g/mLとNHS-LC-BIOTIN (PIERCE社製25 μ g/mL) を混合し、室温で4時間スターラー
を用いて攪拌した。IgGとNHS-LC-BIOTINはモル比が1 : 60になるように混合し
た。攪拌後、この溶液を生理的リン酸緩衝液 (PBS) に透析し、ビオチン標識抗体
を得た。

- 同様に、モノクローナル抗体を用いて固相プレートの作成した。抗 α サブユニ
25 ャットモノクローナル抗体 (Neomarker MS632) を0.1M炭酸緩衝液 (pH9.6) に10 μ g
/mLの濃度に溶解して100 μ L/well、4℃一晩感作した後、PBS + 1 %BSAを200 μ L/

well添加して室温で2時間ブロッキングし、風乾して密封し、保存した。

これらの抗体を用いて、上記の測定条件に従って検体のインスリン受容体 α サブユニット濃度を測定した。

健常者の検体として、徳島大学医学部の学生から提供された血清のうち糖尿病
5 の家族歴のある検体及び乳びのある検体を除いた70検体を測定した。その分布からノンパラメトリック法により平均値+3SDを暫定的なカットオフ値とした(図7)。その結果、カットオフ値は $13.3 \mu\text{g/mL}$ となった。

次いで、徳島大学医学部において、インフォームドコンセントを実施して提供
された糖尿病患者検体168検体を測定した(図8)。その結果、糖尿病患者血清中
10 のインスリン受容体 α サブユニットの濃度は平均 $10.7 \mu\text{g/mL}$ 、最大値 $23.3 \mu\text{g/mL}$ となり、健常者との間に明らかな差が認められた。

このことから、血中のインスリン受容体 α サブユニットの測定値は、糖尿病診断において有用であると考えられた。

1 1. がん患者血清中のインスリン受容体 α サブユニットの測定

15 次いで、ベンダーより購入した各種がん患者血清を検体として、インスリン受容体 α サブユニットの濃度を測定した。測定した患者検体は、肺癌、食道癌、すい臓癌、結腸癌、乳癌、肝臓癌、直腸癌各10検体である。測定の結果を表1及び図9に示す。インスリン受容体 α サブユニットの濃度は、いずれの癌においても健常人と比較して有意に高い値を示した。このことから、血中におけるインスリ
20 ン受容体 α サブユニットの測定は、癌の診断に有用であるといえる。

- 39 -

表 1

		13ng/mL以上	陽性率 (%)
5	肺癌	20/20	100
	食道癌	10/10	100
	すい臓癌	9/10	90
	結腸癌	19/20	95
	乳癌	9/10	90
10	肝臓癌	6/10	60
	直腸癌	10/10	100
	皮膚癌	8/10	80
	健常者	0/70	0

15 産業上の利用可能性

本発明により、血中の遊離のインスリン受容体 α サブユニットの測定方法が提供された。血中の遊離のインスリン受容体 α サブユニットの測定値は、糖尿病の診断マーカーとして有用である。すなわち血中の遊離のインスリン受容体 α サブユニットの測定値が対照と比較して高い場合には、被検者は糖尿病であること、

20 あるいは糖尿病のリスクファクターを有することが予測される。

また、本発明により、新たながんの診断方法が提供された。血中の遊離のインスリン受容体 α サブユニットの測定値は、がんの診断マーカーとして有用である。すなわち血中の遊離のインスリン受容体 α サブユニットの測定値が対照と比較して高い場合には、被検者はがんであることが予測される。インスリン受容体 α サ

25 ブユニットは、幅広い臓器のがんに対して、健常者よりも高い測定値を示した。したがって、インスリン受容体 α サブユニットは、複数の種類のがんのいずれに対してもマーカーとして利用することができる。すなわち、本発明によって、新たな広域腫瘍マーカーが提供された。

- 40 -

請求の範囲

1. 次の工程を含む、血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの測定方法。
 - 5 (1) 血液試料をインスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体と接触させる工程、
 - (2) 前記抗体と血液中に存在するインスリンレセプター α サブユニットの結合を検出する工程、および
 - (3) 両者の結合のレベルに基づいて血中の遊離インスリンレセプター α サブ
10 ユニットの量を決定する工程
2. 前記インスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体が固相に結合しているか、または固相に結合可能な標識を有する第1の抗体であり、第1の抗体に結合したインスリンレセプター α サブユニットをインスリンレセプター α サブユニットを認識する第2の抗体の結合によって検出する工程を含む、
15 請求項1に記載の方法。
3. インスリンレセプター α サブユニットを認識する抗体を含む、血中の遊離インスリンレセプター α サブユニットの測定用試薬。
4. 次の工程を含む、糖尿病の診断方法。
 - a) 被検者の生体試料における、遊離インスリンレセプター α サブユニット
20 の量を測定する工程
 - b) 該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を、対照と比較する工程、および
 - c) 該被検者の生体試料における該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量が対照と比較して高い場合に被検者が糖尿病であると判定する工
25 程
5. 生体試料が血液試料である請求項4に記載の診断方法。

- 41 -

6. 遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を請求項1に記載の方法により測定する、請求項5に記載の診断方法
7. インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体からなる糖尿病の診断用試薬。
- 5 8. 次の工程を含む、がんの診断方法。
 - (a)被検者の生体試料における、遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を測定する工程
 - (b)該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を、対照と比較する工程、および
 - 10 (c)該被検者の生体試料における該遊離インスリンレセプター α サブユニットの量が対照と比較して高い場合に被検者ががんであると判定する工程
9. 生体試料が血液試料である請求項8に記載の診断方法。
- 10 10. 遊離インスリンレセプター α サブユニットの量を請求項1に記載の方法により測定する、請求項9に記載の診断方法。
- 15 11. インスリンレセプター α サブユニットのアミノ酸配列を含むペプチドを認識する抗体からなるがんの診断用試薬。

図 1

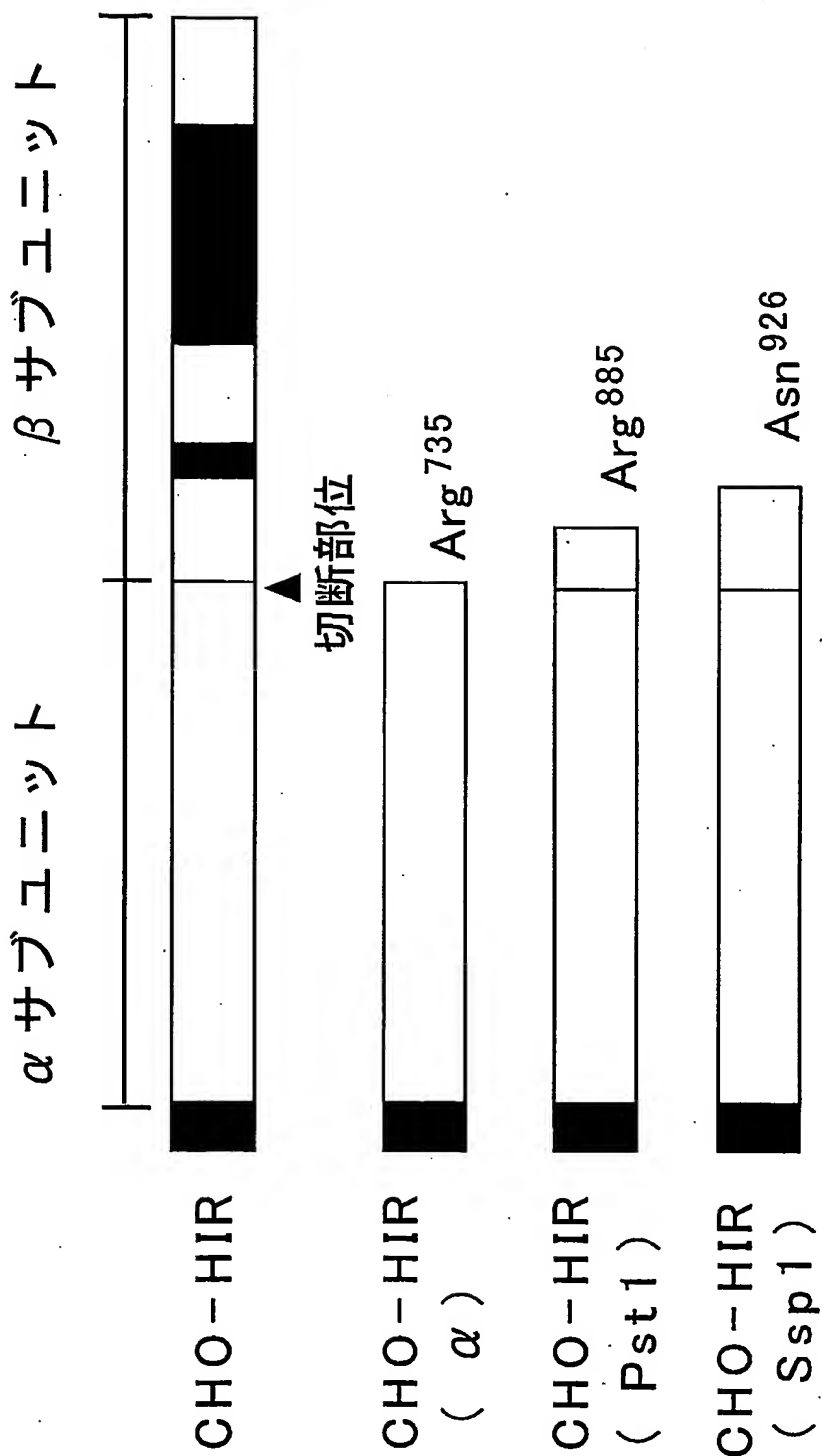


図 2

シグナル ペプチド

mgtggrrrgaaaapl1lvavaalllgaagHLYPGEVCPGMDIRNNLTRHELENCSVIEGHL
-27 1

QILLMFKTRPEDFRDLSFPKLIMITDYLLLFRVYGLESLKDLFPNLTVIRGSRLFFNYAL
VIFEMVHLKELGLYNLMNITRGSVRIEKNNELCYLATIDWSRILDSVEDNHIVLNKDDNE
ECGDICPGTAKGKTNCPATVINGQFVERCWTHSHCQKVCPTICKSHGCTAEGLCCHSECL
GNCSQPDDPTKCVACRNFYLDGRCVETCPPPYHFQDWRCVNFSFCQDLHHKCKNSRRQG
CHQYVIHNNKCIPECPSGYTMNSSNLLCTPCLGPCPKVCHLLEGEKTIDSSVTSAQELRGC
TVINGSLIINIRGGNNLAAELEANGLIEEISGYLKIRRSYALVSLSFFRKLRLIRGETL
EIGNYSFYALDNQNLRLQLDWSKHNLTTTQGKLFFHYNPKLCLSEIHKMEEVSGTKGRQE
RNDIALKTNGDKASCENELLKFSYIRTSFDKILLRWEPYWPPDFRDLLGFMLFYKEAPYQ
NVTEFDGQDACGSNSWTVVDIDPPLRSNDPKSQNHPGWLMRGLKPWTQYAIFVKTLVTF
S
DERRTYGAKSDIIYVQTDATNPSVPLDPISVSNSSSQIILKWKPPSDPNGNITHYLVFWE
RQAESELFELDYCLKGLKLPSRTWSPPFESEDSQKHNQSEYEDSSAGECCSCPKTDSQIL
KELEESSFRKTFEDYLHNVVFVPRKTSSGTGAEDPRPSRKRRslgdvgnvtvavptvaaf

736

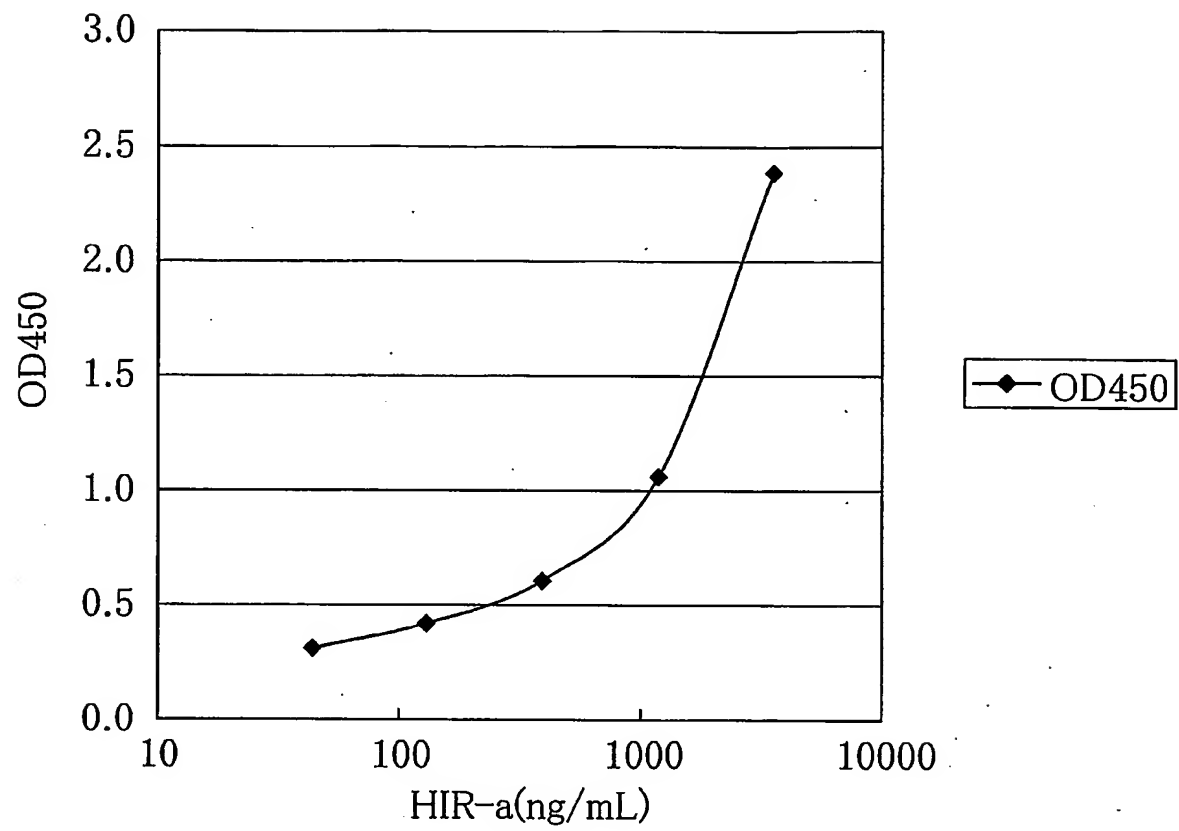
pntsstsvptspeehrfekvvnkeslvisglrhftgyrielqacnqdtpeercsvaayv
sartmpeakaddivgpvtheifennvhlmwqepkepnglivlyevsyrrygdeelhlc
v

SspI

srkhfalergcrlrglspgnysvriratslagngswteptyfyvtdyldvpsniakiiig
plifvflfsvvigsiylflrkrqpdgplgplyassnpeylsasdvfpcsvyvpdewevsr
ekitllrelgqgsfgmvyegnardiikgeaetrvavktvnesaslrerieflneasmkg
ftchhvvrllgvvskgqptlvmelmahgdksylrslrpeaennpgrppptlqemiqma
aeiadgmaylnakkfvhrdlaarncmvahdftvkigdfgmtrdiyetdyrkgkgllpv
rwmapeslkdgvfttssdmwsfgvvlweitslaeqpyqglsneqvlkfvmdggyldqpdn
cpervtdlrmrcwqfnpkmrptfleivnllkddlhpsfpevsffhseenkapeseleme
fedmenvpldrsshcgreeaggrdggsslgfkrsyeehipythmnggkkngriltlprsn
ps (SEQ ID NO:2)

4 / 9

図 4



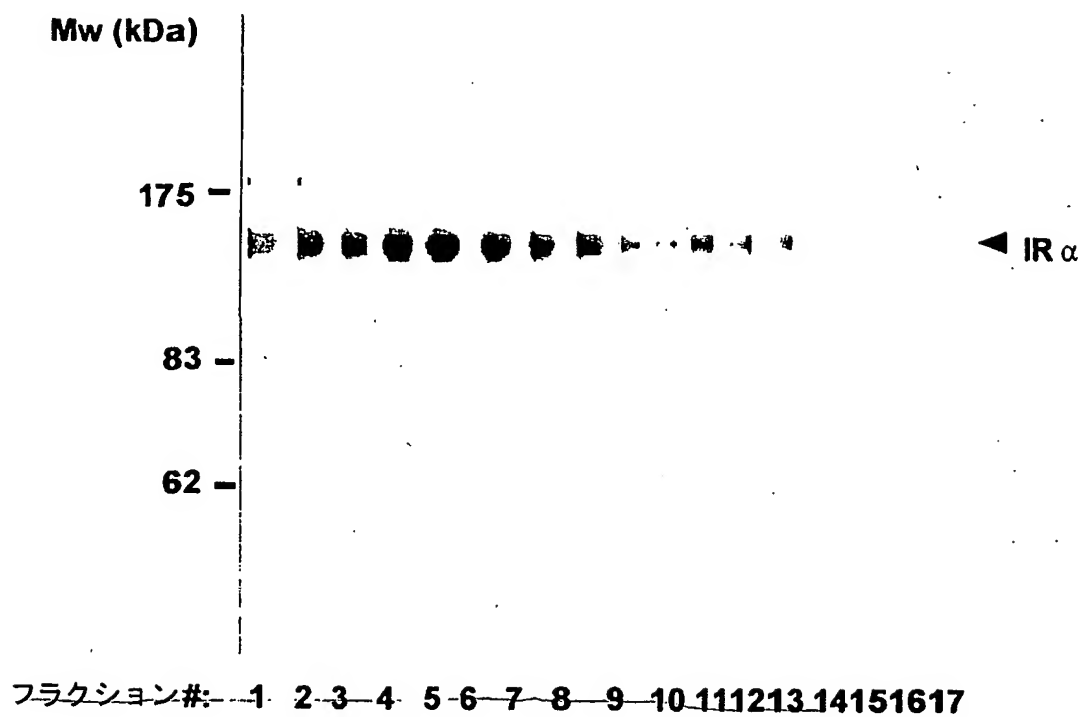


図 5

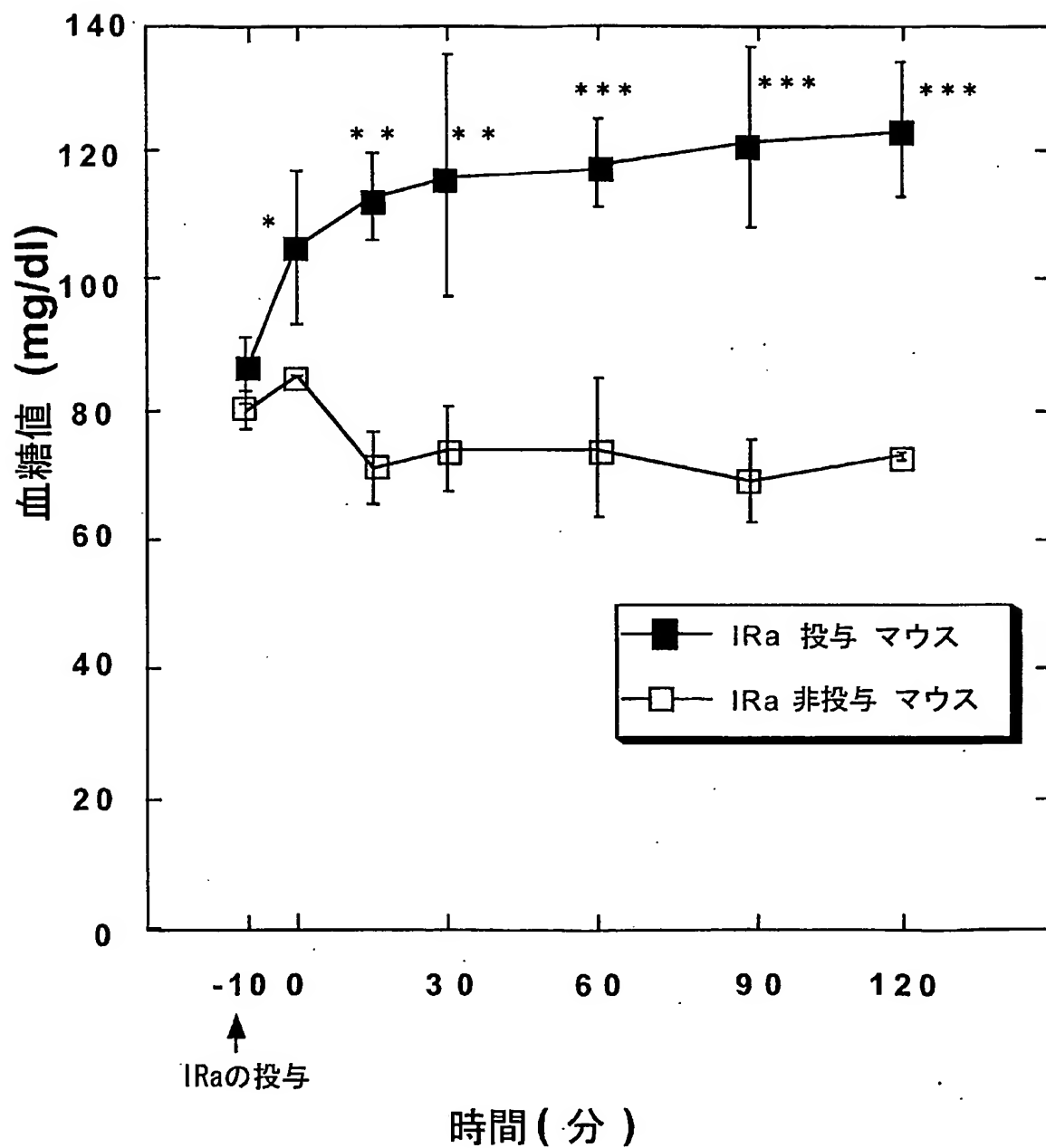


図 6

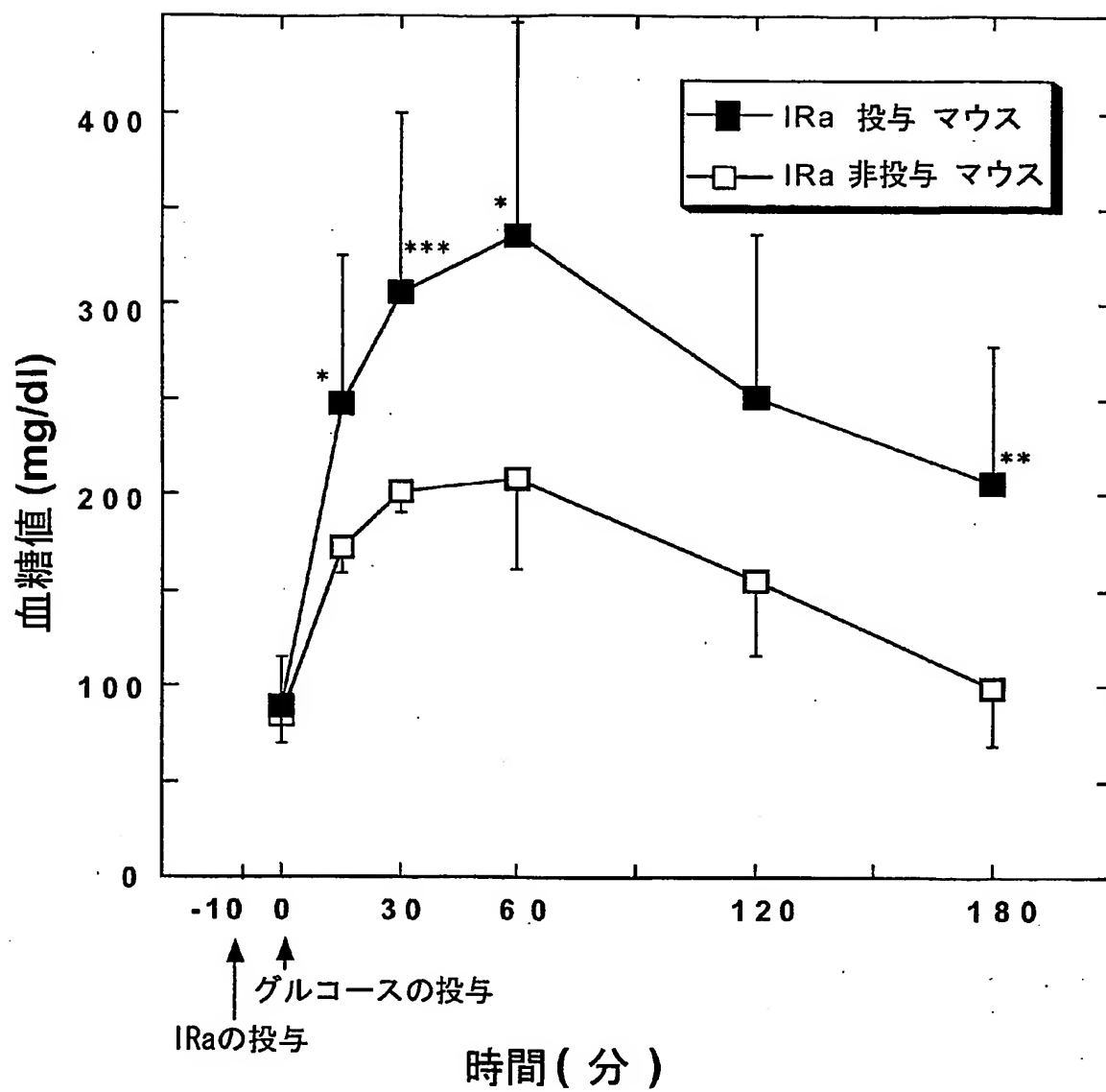


図 7

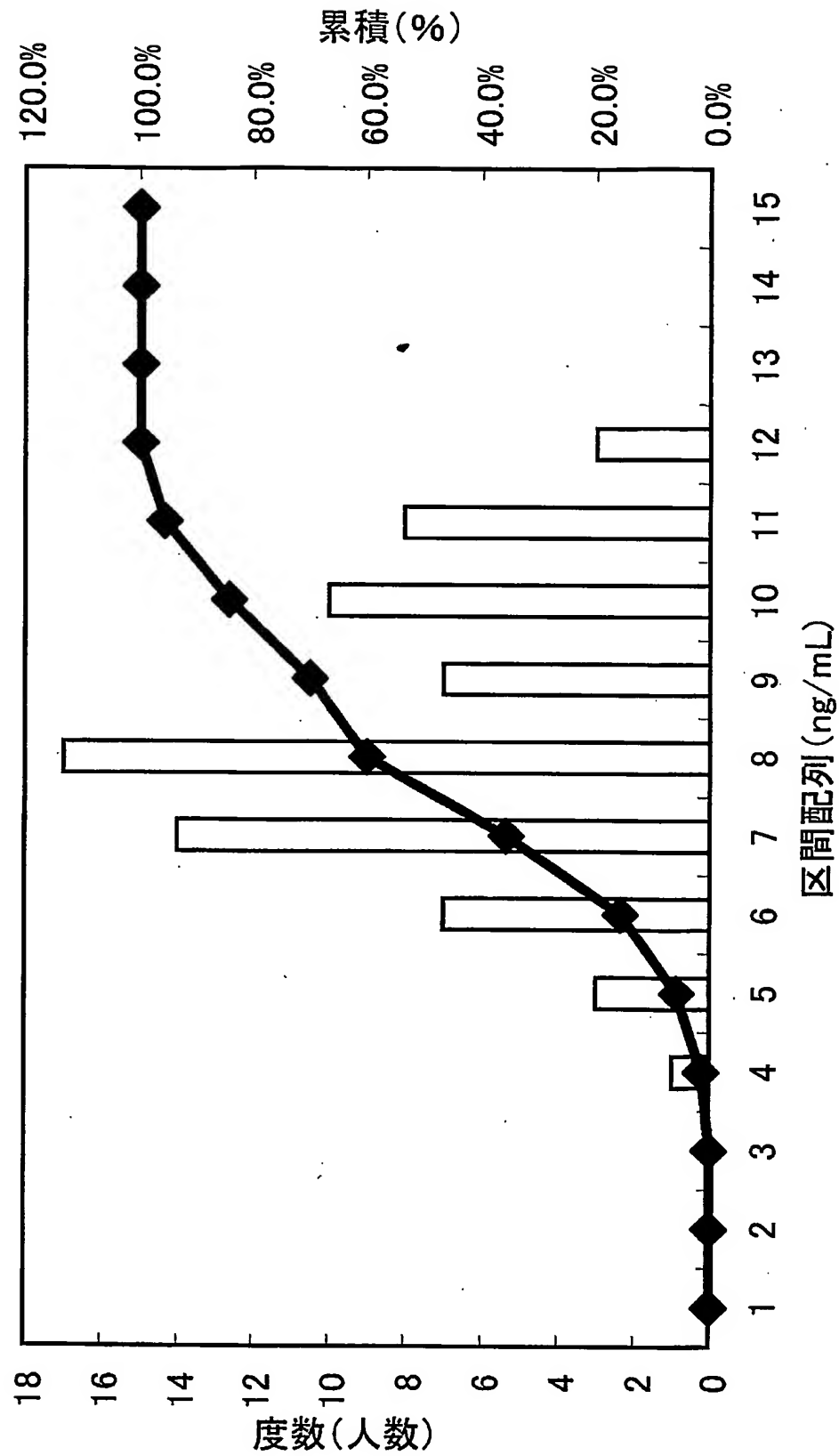
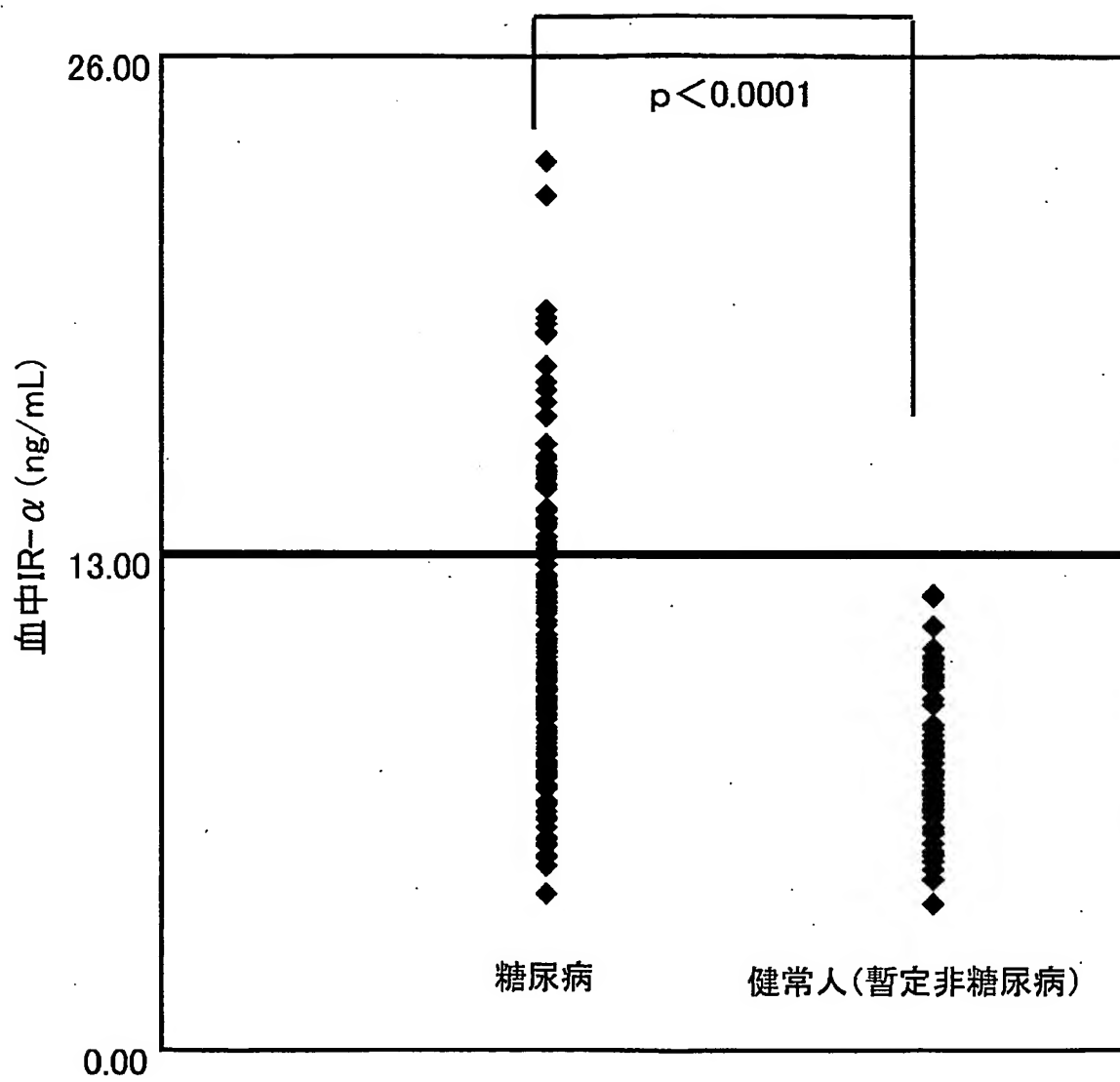
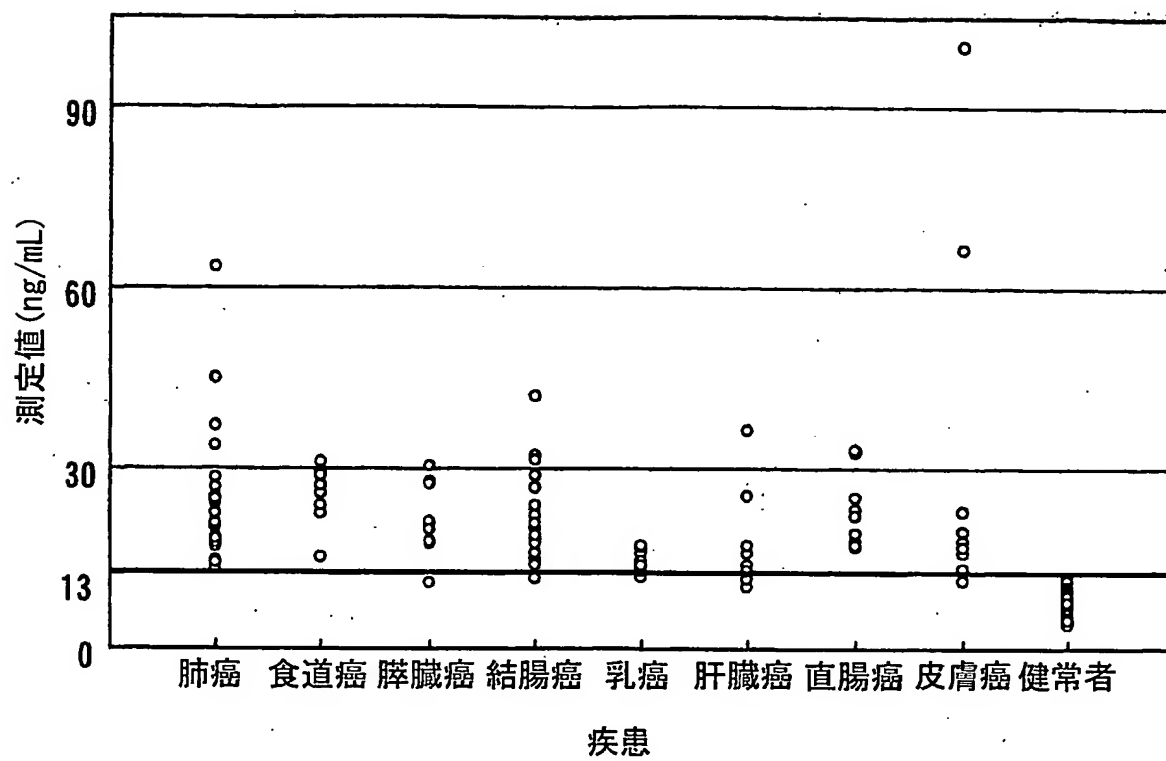


図 8



9 / 9

図 9



1 / 13 JC20 Rec'd PCT/PTO 2 5 OCT 2005

SEQUENCE LISTING

<110> YOUSUKE, EBINA
TOSHIYUKI, OBATA
MEDICAL AND BIOLOGICAL LABORATORIES CO., LTD.

<120> METHOD FOR DETERMINATION OF INSULIN RECEPTOR ALPHA SUBUNIT

<130> M3-A0301Y1P

<150> JP 2003-121955
<151> 2003-04-25

<150> JP 2003-433303
<151> 2003-12-26

<160> 2

<170> PatentIn version 3.1

<210> 1
<211> 2859
<212> DNA
<213> Homo sapiens

<220>
<221> sig_peptide
<222> (1)..(81)
<223>

<220>
<221> CDS
<222> (1)..(2859)
<223>

<220>

2 / 1 3

<221> mat_peptide

<222> (82)..(926)

<223>

<400> 1

atg ggc acc ggg ggc cgg cgg ggg gcg gcg gcc gcg ccg ctg ctg gtg	48
Met Gly Thr Gly Gly Arg Arg Gly Ala Ala Ala Ala Pro Leu Leu Val	
-25 -20 -15	

gcg gtg gcc gcg ctg cta ctg ggc gcc gcg ggc cac ctg tac ccc gga	96
Ala Val Ala Ala Leu Leu Leu Gly Ala Ala Gly His Leu Tyr Pro Gly	
-10 -5 -1 1 5	

gag gtg tgt ccc ggc atg gat atc cgg aac aac ctc act agg ttg cat	144
Glu Val Cys Pro Gly Met Asp Ile Arg Asn Asn Leu Thr Arg Leu His	
10 15 20	

gag ctg gag aat tgc tct gtc atc gaa gga cac ttg cag ata ctc ttg	192
Glu Leu Glu Asn Cys Ser Val Ile Glu Gly His Leu Gln Ile Leu Leu	
25 30 35	

atg ttc aaa acg agg ccc gaa gat ttc cga gac ctc agt ttc ccc aaa	240
Met Phe Lys Thr Arg Pro Glu Asp Phe Arg Asp Leu Ser Phe Pro Lys	
40 45 50	

ctc atc atg atc act gat tac ttg ctg ctc ttc cgg gtc tat ggg ctc	288
Leu Ile Met Ile Thr Asp Tyr Leu Leu Leu Phe Arg Val Tyr Gly Leu	
55 60 65	

gag agc ctg aag gac ctg ttc ccc aac ctc acg gtc atc cgg gga tca	336
Glu Ser Leu Lys Asp Leu Phe Pro Asn Leu Thr Val Ile Arg Gly Ser	
70 75 80 85	

cga ctg ttc ttt aac tac gcg ctg gtc atc ttc gag atg gtt cac ctc	384
Arg Leu Phe Phe Asn Tyr Ala Leu Val Ile Phe Glu Met Val His Leu	
90 95 100	

3 / 13

aag gaa ctc ggc ctc tac aac ctg atg aac atc acc cgg ggt tct gtc	432
Lys Glu Leu Gly Leu Tyr Asn Leu Met Asn Ile Thr Arg Gly Ser Val	
105 110 115	
cgc atc gag aag aac aat gag ctc tgt tac ttg gcc act atc gac tgg	480
Arg Ile Glu Lys Asn Asn Glu Leu Cys Tyr Leu Ala Thr Ile Asp Trp	
120 125 130	
tcc cgt atc ctg gat tcc gtg gag gat aat cac atc gtg ttg aac aaa	528
Ser Arg Ile Leu Asp Ser Val Glu Asp Asn His Ile Val Leu Asn Lys	
135 140 145	
gat gac aac gag gag tgt gga gac atc tgt ccg ggt acc gcg aag ggc	576
Asp Asp Asn Glu Glu Cys Gly Asp Ile Cys Pro Gly Thr Ala Lys Gly	
150 155 160 165	
aag acc aac tgc ccc gcc acc gtc atc aac ggg cag ttt gtc gaa cga	624
Lys Thr Asn Cys Pro Ala Thr Val Ile Asn Gly Gln Phe Val Glu Arg	
170 175 180	
tgt tgg act cat agt cac tgc cag aaa gtt tgc ccg acc atc tgt aag	672
Cys Trp Thr His Ser His Cys Gln Lys Val Cys Pro Thr Ile Cys Lys	
185 190 195	
tca cac ggc tgc acc gcc gaa ggc ctc tgt tgc cac agc gag tgc ctg	720
Ser His Gly Cys Thr Ala Glu Gly Leu Cys Cys His Ser Glu Cys Leu	
200 205 210	
ggc aac tgt tct cag ccc gac gac ccc acc aag tgc gtg gcc tgc cgc	768
Gly Asn Cys Ser Gln Pro Asp Asp Pro Thr Lys Cys Val Ala Cys Arg	
215 220 225	
aac ttc tac ctg gac ggc agg tgt gtg gag acc tgc ccg ccc ccg tac	816
Asn Phe Tyr Leu Asp Gly Arg Cys Val Glu Thr Cys Pro Pro Pro Tyr	
230 235 240 245	

4 / 1 3

tac cac ttc cag gac tgg cgc tgt gtg aac ttc agc ttc tgc cag gac	864
Tyr His Phe Gln Asp Trp Arg Cys Val Asn Phe Ser Phe Cys Gln Asp	
250 255 260	
ctg cac cac aaa tgc aag aac tcg cgg agg cag ggc tgc cac caa tac	912
Leu His His Lys Cys Lys Asn Ser Arg Arg Gln Gly Cys His Gln Tyr	
265 270 275	
gtc att cac aac aac aag tgc atc cct gag tgt ccc tcc ggg tac acg	960
Val Ile His Asn Asn Lys Cys Ile Pro Glu Cys Pro Ser Gly Tyr Thr	
280 285 290	
atg aat tcc agc aac ttg ctg tgc acc cca tgc ctg ggt ccc tgt ccc	1008
Met Asn Ser Ser Asn Leu Leu Cys Thr Pro Cys Leu Gly Pro Cys Pro	
295 300 305	
aag gtg tgc cac ctc cta gaa ggc gag aag acc atc gac tcg gtg acg	1056
Lys Val Cys His Leu Leu Glu Gly Glu Lys Thr Ile Asp Ser Val Thr	
310 315 320 325	
tct gcc cag gag ctc cga gga tgc acc gtc atc aac ggg agt ctg atc	1104
Ser Ala Gln Glu Leu Arg Gly Cys Thr Val Ile Asn Gly Ser Leu Ile	
330 335 340	
atc aac att cga gga ggc aac aat ctg gca gct gag cta gaa gcc aac	1152
Ile Asn Ile Arg Gly Gly Asn Asn Leu Ala Ala Glu Leu Glu Ala Asn	
345 350 355	
ctc ggc ctc att gaa gaa att tca ggg tat cta aaa atc cgc cga tcc	1200
Leu Gly Leu Ile Glu Glu Ile Ser Gly Tyr Leu Lys Ile Arg Arg Ser	
360 365 370	
tac gct ctg gtg tca ctt tcc ttc ttc cgg aag tta cgt ctg att cga	1248
Tyr Ala Leu Val Ser Leu Ser Phe Phe Arg Lys Leu Arg Leu Ile Arg	
375 380 385	

gga gag acc ttg gaa att ggg aac tac tcc ttc tat gcc ttg gac aac	1296
Gly Glu Thr Leu Glu Ile Gly Asn Tyr Ser Phe Tyr Ala Leu Asp Asn	
390 395 400 405	
cag aac cta agg cag ctc tgg gac tgg agc aaa cac aac ctc acc acc	1344
Gln Asn Leu Arg Gln Leu Trp Asp Trp Ser Lys His Asn Leu Thr Thr	
410 415 420	
act cag ggg aaa ctc ttc ttc cac tat aac ccc aaa ctc tgc ttg tca	1392
Thr Gln Gly Lys Leu Phe Phe His Tyr Asn Pro Lys Leu Cys Leu Ser	
425 430 435	
gaa atc cac aag atg gaa gaa gtt tca gga acc aag ggg cgc cag gag	1440
Glu Ile His Lys Met Glu Glu Val Ser Gly Thr Lys Gly Arg Gln Glu	
440 445 450	
aga aac gac att gcc ctg aag acc aat ggg gac aag gca tcc tgt gaa	1488
Arg Asn Asp Ile Ala Leu Lys Thr Asn Gly Asp Lys Ala Ser Cys Glu	
455 460 465	
aat gag tta ctt aaa ttt tct tac att cgg aca tct ttt gac aag atc	1536
Asn Glu Leu Leu Lys Phe Ser Tyr Ile Arg Thr Ser Phe Asp Lys Ile	
470 475 480 485	
ttg ctg aga tgg gag ccg tac tgg ccc ccc gac ttc cga gac ctc ttg	1584
Leu Leu Arg Trp Glu Pro Tyr Trp Pro Pro Asp Phe Arg Asp Leu Leu	
490 495 500	
ggg ttc atg ctg ttc tac aaa gag gcc cct tat cag aat gtg acg gag	1632
Gly Phe Met Leu Phe Tyr Lys Glu Ala Pro Tyr Gln Asn Val Thr Glu	
505 510 515	
ttc gat ggg cag gat gcg tgt ggt tcc aac agt tgg acg gtg gta gac	1680
Phe Asp Gly Gln Asp Ala Cys Gly Ser Asn Ser Trp Thr Val Val Asp	
520 525 530	

6 / 1 3

att gac cca ccc ctg agg tcc aac gac ccc aaa tca cag aac cac cca 1728
Ile Asp Pro Pro Leu Arg Ser Asn Asp Pro Lys Ser Gln Asn His Pro
535 540 545

ggg tgg ctg atg cgg ggt ctc aag ccc tgg acc cag tat gcc atc ttt 1776
Gly Trp Leu Met Arg Gly Leu Lys Pro Trp Thr Gln Tyr Ala Ile Phe
550 555 560 565

gtg aag acc ctg gtc acc ttt tcg gat gaa cgc cgg acc tat ggg gcc 1824
Val Lys Thr Leu Val Thr Phe Ser Asp Glu Arg Arg Thr Tyr Gly Ala
570 575 580

aag agt gac atc att tat gtc cag aca gat gcc acc aac ccc tct gtg 1872
Lys Ser Asp Ile Ile Tyr Val Gln Thr Asp Ala Thr Asn Pro Ser Val
585 590 595

ccc ctg gat cca atc tca gtg tct aac tca tca tcc cag att att ctg 1920
Pro Leu Asp Pro Ile Ser Val Ser Asn Ser Ser Ser Gln Ile Ile Leu
600 605 610

aag tgg aaa cca ccc tcc gac ccc aat ggc aac atc acc cac tac ctg 1968
Lys Trp Lys Pro Pro Ser Asp Pro Asn Gly Asn Ile Thr His Tyr Leu
615 620 625

gtt ttc tgg gag agg cag gcg gaa gac agt gag ctg ttc gag ctg gat 2016
Val Phe Trp Glu Arg Gln Ala Glu Asp Ser Glu Leu Phe Glu Leu Asp
630 635 640 645

tat tgc ctc aaa ggg ctg aag ctg ccc tcg agg acc tgg tct cca cca 2064
Tyr Cys Leu Lys Gly Leu Lys Leu Pro Ser Arg Thr Trp Ser Pro Pro
650 655 660

ttc gag tct gaa gat tct cag aag cac aac cag agt gag tat gag gat 2112
 Phe Glu Ser Glu Asp Ser Gln Lys His Asn Gln Ser Glu Tyr Glu Asp
 665 670 675

7 / 13

tcg gcc ggc gaa tgc tgc tcc tgt cca aag aca gac tct cag atc ctg	2160
Ser Ala Gly Glu Cys Cys Ser Cys Pro Lys Thr Asp Ser Gln Ile Leu	
680 685 690	
aag gag ctg gag gag tcc tcg ttt agg aag acg ttt gag gat tac ctg	2208
Lys Glu Leu Glu Glu Ser Ser Phe Arg Lys Thr Phe Glu Asp Tyr Leu	
695 700 705	
cac aac gtg gtt ttc gtc ccc aga aaa acc tct tca ggc act ggt gcc	2256
His Asn Val Val Phe Val Pro Arg Lys Thr Ser Ser Gly Thr Gly Ala	
710 715 720 725	
gag gac cct agg cca tct cgg aaa cgc agg tcc ctt ggc gat gtt ggg	2304
Glu Asp Pro Arg Pro Ser Arg Lys Arg Arg Ser Leu Gly Asp Val Gly	
730 735 740	
aat gtg acg gtg gcc gtg ccc acg gtg gca gct ttc ccc aac act tcc	2352
Asn Val Thr Val Ala Val Pro Thr Val Ala Ala Phe Pro Asn Thr Ser	
745 750 755	
tcg acc agc gtg ccc acg agt ccg gag gag cac agg cct ttt gag aag	2400
Ser Thr Ser Val Pro Thr Ser Pro Glu Glu His Arg Pro Phe Glu Lys	
760 765 770	
gtg gtg aac aag gag tcg ctg gtc atc tcc ggc ttg cga cac ttc acg	2448
Val Val Asn Lys Glu Ser Leu Val Ile Ser Gly Leu Arg His Phe Thr	
775 780 785	
ggc tat cgc atc gag ctg cag gct tgc aac cag gac acc cct gag gaa	2496
Gly Tyr Arg Ile Glu Leu Gln Ala Cys Asn Gln Asp Thr Pro Glu Glu	
790 795 800 805	
cgg tgc agt gtg gca gcc tac gtc agt gcg agg acc atg cct gaa gcc	2544
Arg Cys Ser Val Ala Ala Tyr Val Ser Ala Arg Thr Met Pro Glu Ala	
810 815 820	

8 / 13

aag gct gat gac att gtt ggc cct gtg acg cat gaa atc ttt gag aac 2592
 Lys Ala Asp Asp Ile Val Gly Pro Val Thr His Glu Ile Phe Glu Asn
 825 830 835

aac gtc gtc cac ttg atg tgg cag gag ccg aag gag ccc aat ggt ctg 2640
 Asn Val Val His Leu Met Trp Gln Glu Pro Lys Glu Pro Asn Gly Leu
 840 845 850

atc gtg ctg tat gaa gtg agt tat cgg cga tat ggt gat gag gag ctg 2688
 Ile Val Leu Tyr Glu Val Ser Tyr Arg Arg Tyr Gly Asp Glu Glu Leu
 855 860 865

cat ctc tgc gtc tcc cgc aag cac ttc gct ctg gaa cgg ggc tgc agg 2736
 His Leu Cys Val Ser Arg Lys His Phe Ala Leu Glu Arg Gly Cys Arg
 870 875 880 885

ctg cgt ggg ctg tca ccg ggg aac tac agc gtg cga atc cgg gcc acc 2784
 Leu Arg Gly Leu Ser Pro Gly Asn Tyr Ser Val Arg Ile Arg Ala Thr
 890 895 900

tcc ctt gcg ggc aac ggc tct tgg acg gaa ccc acc tat ttc tac gtg 2832
 Ser Leu Ala Gly Asn Gly Ser Trp Thr Glu Pro Thr Tyr Phe Tyr Val
 905 910 915

aca gac tat tta gac gtc ccg tca aat 2859
 Thr Asp Tyr Leu Asp Val Pro Ser Asn
 920 925

<210> 2

<211> 953

<212> PRT

<213> Homo sapiens

<400> 2

9 / 13

Met Gly Thr Gly Gly Arg Arg Gly Ala Ala Ala Ala Pro Leu Leu Val
 -25 -20 -15

Ala Val Ala Ala Leu Leu Leu Gly Ala Ala Gly His Leu Tyr Pro Gly
 -10 -5 -1 1 5

Glu Val Cys Pro Gly Met Asp Ile Arg Asn Asn Leu Thr Arg Leu His
 10 15 20

Glu Leu Glu Asn Cys Ser Val Ile Glu Gly His Leu Gln Ile Leu Leu
 25 30 35

Met Phe Lys Thr Arg Pro Glu Asp Phe Arg Asp Leu Ser Phe Pro Lys
 40 45 50

Leu Ile Met Ile Thr Asp Tyr Leu Leu Leu Phe Arg Val Tyr Gly Leu
 55 60 65

Glu Ser Leu Lys Asp Leu Phe Pro Asn Leu Thr Val Ile Arg Gly Ser
 70 75 80 85

Arg Leu Phe Phe Asn Tyr Ala Leu Val Ile Phe Glu Met Val His Leu
 90 95 100

Lys Glu Leu Gly Leu Tyr Asn Leu Met Asn Ile Thr Arg Gly Ser Val
 105 110 115

Arg Ile Glu Lys Asn Asn Glu Leu Cys Tyr Leu Ala Thr Ile Asp Trp
 120 125 130

Ser Arg Ile Leu Asp Ser Val Glu Asp Asn His Ile Val Leu Asn Lys
 135 140 145

Asp Asp Asn Glu Glu Cys Gly Asp Ile Cys Pro Gly Thr Ala Lys Gly
 150 155 160 165

10 / 13

Lys Thr Asn Cys Pro Ala Thr Val Ile Asn Gly Gln Phe Val Glu Arg
170 175 180

Cys Trp Thr His Ser His Cys Gln Lys Val Cys Pro Thr Ile Cys Lys
185 190 195

Ser His Gly Cys Thr Ala Glu Gly Leu Cys Cys His Ser Glu Cys Leu
200 205 210

Gly Asn Cys Ser Gln Pro Asp Asp Pro Thr Lys Cys Val Ala Cys Arg
215 220 225

Asn Phe Tyr Leu Asp Gly Arg Cys Val Glu Thr Cys Pro Pro Pro Tyr
230 235 240 245

Tyr His Phe Gln Asp Trp Arg Cys Val Asn Phe Ser Phe Cys Gln Asp
250 255 260

Leu His His Lys Cys Lys Asn Ser Arg Arg Gln Gly Cys His Gln Tyr
265 270 275

Val Ile His Asn Asn Lys Cys Ile Pro Glu Cys Pro Ser Gly Tyr Thr
280 285 290

Met Asn Ser Ser Asn Leu Leu Cys Thr Pro Cys Leu Gly Pro Cys Pro
295 300 305

Lys Val Cys His Leu Leu Glu Gly Glu Lys Thr Ile Asp Ser Val Thr
310 315 320 325

Ser Ala Gln Glu Leu Arg Gly Cys Thr Val Ile Asn Gly Ser Leu Ile
330 335 340

Ile Asn Ile Arg Gly Gly Asn Asn Leu Ala Ala Glu Leu Glu Ala Asn
345 350 355

11 / 13

Leu Gly Leu Ile Glu Glu Ile Ser Gly Tyr Leu Lys Ile Arg Arg Ser
360 365 370

Tyr Ala Leu Val Ser Leu Ser Phe Phe Arg Lys Leu Arg Leu Ile Arg
375 380 385

Gly Glu Thr Leu Glu Ile Gly Asn Tyr Ser Phe Tyr Ala Leu Asp Asn
390 395 400 405

Gln Asn Leu Arg Gln Leu Trp Asp Trp Ser Lys His Asn Leu Thr Thr
410 415 420

Thr Gln Gly Lys Leu Phe Phe His Tyr Asn Pro Lys Leu Cys Leu Ser
425 430 435

Glu Ile His Lys Met Glu Glu Val Ser Gly Thr Lys Gly Arg Gln Glu
440 445 450

Arg Asn Asp Ile Ala Leu Lys Thr Asn Gly Asp Lys Ala Ser Cys Glu
455 460 465

Asn Glu Leu Leu Lys Phe Ser Tyr Ile Arg Thr Ser Phe Asp Lys Ile
470 475 480 485

Leu Leu Arg Trp Glu Pro Tyr Trp Pro Pro Asp Phe Arg Asp Leu Leu
490 495 500

Gly Phe Met Leu Phe Tyr Lys Glu Ala Pro Tyr Gln Asn Val Thr Glu
505 510 515

Phe Asp Gly Gln Asp Ala Cys Gly Ser Asn Ser Trp Thr Val Val Asp
520 525 530

Ile Asp Pro Pro Leu Arg Ser Asn Asp Pro Lys Ser Gln Asn His Pro
535 540 545

1 2 / 1 3

Gly Trp Leu Met Arg Gly Leu Lys Pro Trp Thr Gln Tyr Ala Ile Phe
550 555 560 565

Val Lys Thr Leu Val Thr Phe Ser Asp Glu Arg Arg Thr Tyr Gly Ala
570 575 580

Lys Ser Asp Ile Ile Tyr Val Gln Thr Asp Ala Thr Asn Pro Ser Val
585 590 595

Pro Leu Asp Pro Ile Ser Val Ser Asn Ser Ser Ser Gln Ile Ile Leu
600 605 610

Lys Trp Lys Pro Pro Ser Asp Pro Asn Gly Asn Ile Thr His Tyr Leu
615 620 625

Val Phe Trp Glu Arg Gln Ala Glu Asp Ser Glu Leu Phe Glu Leu Asp
630 635 640 645

Tyr Cys Leu Lys Gly Leu Lys Leu Pro Ser Arg Thr Trp Ser Pro Pro
650 655 660

Phe Glu Ser Glu Asp Ser Gln Lys His Asn Gln Ser Glu Tyr Glu Asp
665 670 675

Ser Ala Gly Glu Cys Cys Ser Cys Pro Lys Thr Asp Ser Gln Ile Leu
680 685 690

Lys Glu Leu Glu Glu Ser Ser Phe Arg Lys Thr Phe Glu Asp Tyr Leu
695 700 705

His Asn Val Val Phe Val Pro Arg Lys Thr Ser Ser Gly Thr Gly Ala
710 715 720 725

Glu Asp Pro Arg Pro Ser Arg Lys Arg Arg Ser Leu Gly Asp Val Gly
730 735 740

1 3 / 1 3

Asn Val Thr Val Ala Val Pro Thr Val Ala Ala Phe Pro Asn Thr Ser
745 750 755

Ser Thr Ser Val Pro Thr Ser Pro Glu Glu His Arg Pro Phe Glu Lys
760 765 770

Val Val Asn Lys Glu Ser Leu Val Ile Ser Gly Leu Arg His Phe Thr
775 780 785

Gly Tyr Arg Ile Glu Leu Gln Ala Cys Asn Gln Asp Thr Pro Glu Glu
790 795 800 805

Arg Cys Ser Val Ala Ala Tyr Val Ser Ala Arg Thr Met Pro Glu Ala
810 815 820

Lys Ala Asp Asp Ile Val Gly Pro Val Thr His Glu Ile Phe Glu Asn
825 830 835

Asn Val Val His Leu Met Trp Gln Glu Pro Lys Glu Pro Asn Gly Leu
840 845 850

Ile Val Leu Tyr Glu Val Ser Tyr Arg Arg Tyr Gly Asp Glu Glu Leu
855 860 865

His Leu Cys Val Ser Arg Lys His Phe Ala Leu Glu Arg Gly Cys Arg
870 875 880 885

Leu Arg Gly Leu Ser Pro Gly Asn Tyr Ser Val Arg Ile Arg Ala Thr
890 895 900

Ser Leu Ala Gly Asn Gly Ser Trp Thr Glu Pro Thr Tyr Phe Tyr Val
905 910 915

Thr Asp Tyr Leu Asp Val Pro Ser Asn
920 925

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP2004/005412

A. CLASSIFICATION OF SUBJECT MATTER

Int.Cl⁷ G01N33/53

According to International Patent Classification (IPC) or to both national classification and IPC

B. FIELDS SEARCHED

Minimum documentation searched (classification system followed by classification symbols)

Int.Cl⁷ G01N33/53, G01N33/574

Documentation searched other than minimum documentation to the extent that such documents are included in the fields searched

Jitsuyo Shinan Koho 1922-1996 Toroku Jitsuyo Shinan Koho 1994-2004
Kokai Jitsuyo Shinan Koho 1971-2004 Jitsuyo Shinan Toroku Koho 1996-2004

Electronic data base consulted during the international search (name of data base and, where practicable, search terms used)

BIOSIS (DIALOG), CA (STN), JICST (JOIS), PubMed

C. DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
P, X P, A	JP 2003-337131 A (Jenapharm GmbH. & Co., KG.), 28 November, 2003 (28.11.03), Claims 1, 4; Par. Nos. [0113], [0140] & DE 10211915 A & EP 1352972 A & US 2003/232747 A	1-3 4-11
P, X P, A	Yoshiko KANEZAKI, Injection of the insulin receptor subunit increases blood glucose levels in mice., Biochemical and Biophysical Research Communications, 2003, Vol.309, pages 572 to 577 page 572, right column, lines 10 to 15	1-7 8-11
A	JP 8-103280 A (Otsuka Pharmaceutical Co., Ltd.), 23 April, 1996 (23.04.96), & WO 95/31542 A & EP 0803570 A & US 5958685 A	1-11

☒ Further documents are listed in the continuation of Box C.

☐ See patent family annex.

* Special categories of cited documents:

"A" document defining the general state of the art which is not considered to be of particular relevance

"E" earlier application or patent but published on or after the international filing date

"L" document which may throw doubts on priority claim(s) or which is cited to establish the publication date of another citation or other special reason (as specified)

"O" document referring to an oral disclosure, use, exhibition or other means

"P" document published prior to the international filing date but later than the priority date claimed

"T" later document published after the international filing date or priority date and not in conflict with the application but cited to understand the principle or theory underlying the invention

"X" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered novel or cannot be considered to involve an inventive step when the document is taken alone

"Y" document of particular relevance; the claimed invention cannot be considered to involve an inventive step when the document is combined with one or more other such documents, such combination being obvious to a person skilled in the art

"&" document member of the same patent family

Date of the actual completion of the international search

14 May, 2004 (14.05.04)

Date of mailing of the international search report

01 June, 2004 (01.06.04)

Name and mailing address of the ISA/
Japanese Patent Office

Authorized officer

Facsimile No.

Telephone No.

INTERNATIONAL SEARCH REPORT

International application No.

PCT/JP2004/005412

C (Continuation). DOCUMENTS CONSIDERED TO BE RELEVANT

Category*	Citation of document, with indication, where appropriate, of the relevant passages	Relevant to claim No.
A	Kunimi KIKUCHI et al., "Saibo Seicho Inshi . Receptor to Gan Idenshi Sanbutsu (II) Insulin Receptor", Protein, Nucleic acid and Enzyme, 1985, Vol.30, No.13, pages 1388 to 1393	1-11

A. 発明の属する分野の分類 (国際特許分類 (IPC))		
Int. Cl. G01N33/53		
B. 調査を行った分野		
調査を行った最小限資料 (国際特許分類 (IPC))		
Int. Cl. G01N33/53, G01N33/574		
最小限資料以外の資料で調査を行った分野に含まれるもの		
日本国実用新案公報 1922-1996年 日本国公開実用新案公報 1971-2004年 日本国登録実用新案公報 1994-2004年 日本国実用新案登録公報 1996-2004年		
国際調査で使用した電子データベース (データベースの名称、調査に使用した用語)		
BIOSIS (DIALOG), CA (STN), JICST (JOIS), PubMed		
C. 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
PX	J P 2003-337131 A (ジェナファーム ゲゼルシ ャフト. ミット ベシュレンクテル ハフツング ウント コマン ディートゲゼルシャフト), 2003. 11. 28	1-3
PA	【請求項1】、【請求項4】、【0113】、【0140】 & DE 10211915 A & EP 1352972 A & US 2003/232747 A	4-11
<input checked="" type="checkbox"/> C欄の続きにも文献が列挙されている。 <input type="checkbox"/> パテントファミリーに関する別紙を参照。		
* 引用文献のカテゴリー 「A」 特に関連のある文献ではなく、一般的技術水準を示すもの 「E」 国際出願日前の出願または特許であるが、国際出願日以後に公表されたもの 「L」 優先権主張に疑義を提起する文献又は他の文献の発行日若しくは他の特別な理由を確立するために引用する文献 (理由を付す) 「O」 口頭による開示、使用、展示等に言及する文献 「P」 国際出願日前で、かつ優先権の主張の基礎となる出願日の後に公表された文献 「T」 国際出願日又は優先日後に公表された文献であって出願と矛盾するものではなく、発明の原理又は理論の理解のために引用するもの 「X」 特に関連のある文献であって、当該文献のみで発明の新規性又は進歩性がないと考えられるもの 「Y」 特に関連のある文献であって、当該文献と他の1以上の文献との、当業者にとって自明である組合せによって進歩性がないと考えられるもの 「&」 同一パテントファミリー文献		
国際調査を完了した日	14. 05. 2004	国際調査報告の発送日
国際調査機関の名称及びあて先		2 J 3312
日本国特許庁 (ISA/J P) 郵便番号 100-8915 東京都千代田区霞が関三丁目4番3号		特許庁審査官 (権限のある職員) 山村 祥子 電話番号 03-3581-1101 内線 3251

C (続き) . 関連すると認められる文献		
引用文献の カテゴリー*	引用文献名 及び一部の箇所が関連するときは、その関連する箇所の表示	関連する 請求の範囲の番号
PX	Yoshiko KANEZAKI, Injection of the insulin receptor subunit increase s blood glucose levels in mice, Biochemical and Biophysical Research Communications, 2003, Vol. 309, P. 572-577 572頁右欄10行~15行	1-7
PA		8-11
A	JP 8-103280 A (大塚製薬株式会社), 1996.04.23 & WO 95/31542 A & EP 0803570 A & US 5958685 A	1-11
A	菊池九二三, 細胞成長因子レセプターと癌遺伝子産物 (II) インスリンレセプター, 蛋白質 核酸 酵素, 1985, Vol. 30, No. 13, P. 1388-1393	1-11